W

;/--n

**TUGAS AKHIR – KI1502**

**RANCANG BANGUN PERANGKAT LUNAK SISTEM INFORMASI AKADEMIK GENERIK PADA MODUL MATA KULIAH MENGGUNAKAN POLA PERANCANGAN *HIERARCHICAL MODEL VIEW CONTROLLER***

**AMANDA TIARA AVEROUSI**

**NRP 5111100152**

**Dosen Pembimbing I**

**Dr. Ir. Siti Rochimah, MT.**

**Dosen Pembimbing II**

**Rizky Januar Akbar, S.Kom., M.Eng.**

**JURUSAN TEKNIK INFORMATIKA**

**Fakultas Teknologi Informasi**

**Institut Teknologi Sepuluh Nopember**

**Surabaya 2015**

*****[Halaman ini sengaja dikosongkan]***

**TUGAS AKHIR – KI1502**

**RANCANG BANGUN PERANGKAT LUNAK SISTEM INFORMASI AKADEMIK GENERIK PADA MODUL MATA KULIAH MENGGUNAKAN POLA PERANCANGAN *HIERARCHICAL MODEL VIEW CONTROLLER***

**AMANDA TIARA AVEROUSI**

**NRP 5111100152**

**Dosen Pembimbing I**

**Dr. Ir. Siti Rochimah, MT.**

**Dosen Pembimbing II**

**Rizky Januar Akbar, S.Kom., M.Eng.**

**JURUSAN TEKNIK INFORMATIKA**

**Fakultas Teknologi Informasi**

**Institut Teknologi Sepuluh Nopember**

**Surabaya 2015**

****

***[Halaman ini sengaja dikosongkan]***

**UNDERGRADUATE THESES – KI1502**

**SOFTWARE DESIGN AND IMPLEMENTATION OF GENERIC ACADEMIC INFORMATION SYSTEM FOR COURSES MODULE USING *HIERARCHICAL MODEL VIEW CONTROLLER* DESIGN PATTERN**

**AMANDA TIARA AVEROUSI**

**NRP 5111100152**

**Supervisor I**

**Dr. Ir. Siti Rochimah, MT.**

**Supervisor II**

**Rizky Januar Akbar, S.Kom., M.Eng.**

**DEPARTMENT OF INFORMATICS**

**FACULTY OF INFORMATION TECHNOLOGY**

**INSTITUT TEKNOLOGI SEPULUH NOPEMBER**

**SURABAYA 2015**

# LEMBAR PENGESAHAN

**RANCANG BANGUN PERANGKAT LUNAK SISTEM INFORMASI AKADEMIK GENERIK PADA MODUL MATA KULIAH MENGGUNAKAN POLA PERANCANGAN *HIERARCHICAL MODEL VIEW CONTROLLER***

**TUGAS AKHIR**

Diajukan Untuk Memenuhi Salah Satu Syarat

Memperoleh Gelar Sarjana Komputer

pada

Bidang Studi Rekayasa Perangkat Lunak

Program Studi S-1 Jurusan Teknik Informatika

Fakultas Teknologi Informasi

Institut Teknologi Sepuluh Nopember

Oleh

**AMANDA TIARA AVEROUSI**

**NRP : 5111 100 152**

Disetujui oleh Dosen Pembimbing Tugas Akhir:

1. Dr. Ir. Siti Rochimah, MT. .....................

NIP: 196810021994032001 (Pembimbing 1)

1. Rizky Januar Akbar, S. Kom., M.Eng. .....................

NIP: 051100122 (Pembimbing 2)

**SURABAYA**

**xxx, 2015**

***[Halaman ini sengaja dikosongkan]***

**RANCANG BANGUN PERANGKAT LUNAK SISTEM INFORMASI AKADEMIK GENERIK PADA MODUL MATA KULIAH MENGGUNAKAN POLA PERANCANGAN *HIERARCHICAL MODEL VIEW CONTROLLER***

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Nama Mahasiswa** | **:** | **AMANDA TIARA AVEROUSI** |
| **NRP** | **:** | **5111100152** |
| **Jurusan** | **:** | **Teknik Informatika FTIF-ITS** |
| **Dosen Pembimbing 1** | **:** | **Dr. Ir. Siti Rochimah, MT.** |
| **Dosen Pembimbing 2** | **:** | **Rizky Januar Akbar, S. Kom., M.Eng.** |

# *Abstrak*

*Dewasa ini, perangkat lunak menjadi salah satu kebutuhan utama untuk mendukung kinerja manusia. Seiring dengan keadaan tersebut, penggunaan internet di kalangan masyarakat pun meningkat. Kebutuhan pengadaan sistem informasi berbasis web pun meningkat, terutama pada perguruan tinggi-perguran tinggi di Indonesia.*

*Sistem informasi akademik menjadi salah satu elemen penting dalam sebuah institusi akademik karena kemampuan sistem ini yang dapat mengatur proses bisnis besar seperti pengelolaan mata kuliah pada suatu perguruan tinggi, menjadi lebih efisien dari segi waktu.*

*Akan tetapi, banyaknya perbedaan proses bisnis di masing-masing perguruan tinggi mengakibatkan apabila suatu perguruan tinggi hendak membangun perangkat lunak ini, akan menambahkan biaya dan waktu untuk memahami proses bisnis pengelolaan mata kuliah di dalamnya.*

*Selain itu, akan terjadi banyak perubahan-perubaan (evolusi perangkat lunak) akademik yang dapat mengakibatkan semakin bertambahnya kebutuhan fitur atau laporan di dalam sistem informasi akademik, terutama di modul mata kuliah.*

*Maka dari itu, dibutuhkan suatu solusi pembuatan sistem informasi akademik pada modul mata kuliah dengan proses bisnis yang generik dan kemudahan evolusi jika terjadi perubahan fitur agar dapat mudah diterapkan dan digunakan di perguruan tinggi dengan menggunakan pola perancangan Hierarchical Model View Controller.*

***Kata kunci: Generik, Evolusi, Sistem Informasi Akademik, Hierarchical Model View Controller***

**SOFTWARE DESIGN AND IMPLEMENTATION OF GENERIC ACADEMIC INFORMATION SYSTEM FOR COURSES MODULE USING *HIERARCHICAL MODEL VIEW CONTROLLER* DESIGN PATTERN**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Student’s Name** | **:** | **AMANDA TIARA AVEROUSI** |
| **Student’s ID** | **:** | **5111100152** |
| **Department** | **:** | **Teknik Informatika FTIF-ITS** |
| **First Advisor** | **:** | **Dr. Ir. Siti Rochimah, MT.** |
| **Second Advisor** | **:** | **Rizky Januar Akbar, S.Kom., M.Eng.** |

# *Abstract*

*Nowadays, softwares are becoming one of primary needed to support human performances. Concurrently, internet users in societies are also increasing. The necessity of information system developments are increasing too, particularly for colleges in Indonesia.*

*Academic information system becoming one of important element in an academic institution because it ability to organize large business process, such as courses management in college, it makes more efficient in time performance.*

*However, particular differences business processes in each colleges resulted wasting more cost and time to analyze the specific business processes for course management. Furthermore, a large amount of academic process modification (software evolution) could increase the feature requirements or report in academic information system, mainly in course module.*

*Therefore, required a development solution for academic information system in course module with generic business process and evolution ability for future modification, in order to implement and utilize easily in colleges, and using Hierarchical Model View Controller design pattern.*

***Keywords: Generic, Evolution, Academic Information System, Hierarchical Model View Controller***

# KATA PENGANTAR



Alhamdulillahirabbil’alamin, segala puji bagi Allah SWT, yang telah melimpahkan rahmat dan hidayah-Nya sehingga penulis dapat menyelesaikan Tugas Akhir yang berjudul ***“*RANCANG BANGUN PERANGKAT LUNAK SISTEM INFORMASI AKADEMIK GENERIK PADA MODUL MATA KULIAH MENGGUNAKAN POLA PERANCANGAN *HIERARCHICAL MODEL VIEW CONTROLLER”*.**

Pengerjaan Tugas Akhir ini merupakan suatu kesempatan yang sangat baik bagi penulis. Dengan pengerjaan Tugas Akhir ini, penulis bisa belajar lebih banyak untuk memperdalam dan meningkatkan apa yang telah didapatkan penulis selama menempuh perkuliahan di Teknik Informatika ITS. Dengan Tugas Akhir ini penulis juga dapat menghasilkan suatu implementasi dari apa yang telah penulis pelajari.

Selesainya Tugas Akhir ini tidak lepas dari bantuan dan dukungan beberapa pihak. Sehingga pada kesempatan ini penulis mengucapkan syukur dan terima kasih kepada:

1. Allah SWT dan Nabi Muhammad SAW.
2. Bapak, Ibu, Abang Reza, Kak Uli yang selalu mendukung tiap pilihan dan mendoakan yang terbaik, serta memberi semangat selalu setiap penulis berkeluh kesah saat pengerjaan.
3. Ibu Dr. Ir. Siti Rochimah, MT. selaku pembimbing I dan kepala Laboratorium RPL, yang selalu memberikan motivasi, kebahagiaan dan membantu sekaligus membimbing penulis selama pengerjaan Tugas Akhir dan selama menjadi administrator Laboratorium RPL.
4. Bapak Rizky Januar Akbar, S.Kom., M.Eng. selaku pembimbing II yang juga telah dengan sabar membantu, membimbing dan memberikan ketenangan saat pengerjaan Tugas Akhir ini.
5. Ibu Dr. Eng. Nanik Suciati, S.Kom., M.Kom. selaku Kepala Jurusan Teknik Informatika ITS, Bapak Radityo Anggoro, S.Kom.,M.Sc. selaku koordinator TA, dan segenap dosen Teknik Informatika yang telah memberikan ilmunya.
6. Hawari Rahman, yang selalu mendoakan, menghibur dan memberikan ketenangan disaat penulis berada pada titik terberat menjalankan Tugas Akhir ini.
7. Kelompok TA “bit.ly/driveTA” Tommy, Galih, Bustan, Bang Jay, yang sudah susah payah menjalankan Tugas Akhir ini dengan curhatan dan amukan.
8. “Ciwi-ciwi Asrama”, “Group Keren”, PH Bersahabat yang selalu menjadi tempat curahan hati dan ‘pundak’ virtual bagi penulis saat mengalami beban mental pengerjaan Tugas Akhir ini.
9. Teman-teman angkatan 2011 yang telah membantu, berbagi ilmu, menjaga kebersamaan, dan memberi motivasi kepada penulis, kakak-kakak angkatan 2010, Mbak Udhe, Mbak Momo, serta adik-adik angkatan 2012 dan 2013 yang membuat penulis untuk selalu belajar.
10. Serta semua pihak yang yang telah turut membantu penulis dalam menyelesaikan Tugas Akhir ini.

Penulis menyadari bahwa Tugas Akhir ini masih memiliki banyak kekurangan. Sehingga dengan kerendahan hati, penulis mengharapkan kritik dan saran dari pembaca untuk perbaikan ke depannya.

Surabaya, Januari 2015

# DAFTAR ISI

[LEMBAR PENGESAHAN v](#_Toc418550455)

[*Abstrak* vii](#_Toc418550456)

[*Abstract* ix](#_Toc418550457)

[KATA PENGANTAR xi](#_Toc418550458)

[DAFTAR ISI xiii](#_Toc418550459)

[DAFTAR GAMBAR xvii](#_Toc418550460)

[DAFTAR TABEL xix](#_Toc418550461)

[DAFTAR KODE SUMBER xxi](#_Toc418550462)

[BAB I PENDAHULUAN 1](#_Toc418550463)

[1.1 Latar Belakang 1](#_Toc418550464)

[1.2 Rumusan Masalah 3](#_Toc418550465)

[1.3 Batasan Masalah 3](#_Toc418550466)

[1.4 Tujuan 4](#_Toc418550467)

[1.5 Manfaat 5](#_Toc418550468)

[1.6 Metodologi 5](#_Toc418550469)

[1.7 Sistematika Penulisan Laporan Tugas Akhir 7](#_Toc418550470)

[BAB II TINJAUAN PUSTAKA 9](#_Toc418550471)

[2.1 Mata Kuliah 9](#_Toc418550473)

[2.2 KKNI 12](#_Toc418550474)

[2.3 *Hierarchical Model-View-Controller* (HMVC) 14](#_Toc418550475)

[2.4 Kerangka Kerja Spring 15](#_Toc418550476)

[2.4.1 JDBC (*Java Database Connectivity*) 16](#_Toc418550477)

[2.4.2 *Transaction* 16](#_Toc418550478)

[2.4.3 Web-Servlet 17](#_Toc418550479)

[2.4.4 Mutasi 17](#_Toc418550480)

[2.4.5 Beans 18](#_Toc418550481)

[2.4.6 Context 18](#_Toc418550482)

[2.5 *K-Means* 19](#_Toc418550483)

[2.6 *K-Nearest Neighbor* 20](#_Toc418550484)

[2.7 *Principal Component Analysis* 21](#_Toc418550485)

[2.8 Normalisasi 22](#_Toc418550486)

[2.8.1 Normalisasi Skala 22](#_Toc418550487)

[2.8.2 Normalisasi *Gaussian* 23](#_Toc418550488)

[BAB III DESAIN PERANGKAT LUNAK 24](#_Toc418550489)

[3.1 Desain Metode Secara Umum 24](#_Toc418550491)

[3.2 *Preprocessing* 26](#_Toc418550492)

[3.2.1 Normalisasi 26](#_Toc418550493)

[3.2.2 Reduksi Dimensi Atribut 26](#_Toc418550494)

[3.3 *Processing* 27](#_Toc418550495)

[3.3.1 Fungsi *Generate* Kromosom 27](#_Toc418550496)

[3.3.2 Fungsi Menghitung *Fitness Value* 28](#_Toc418550497)

[3.3.3 Fungsi Seleksi 31](#_Toc418550498)

[3.3.4 Fungsi *Crossover* 31](#_Toc418550499)

[3.3.5 Fungsi Mutasi 32](#_Toc418550500)

[3.3.6 Program Utama (*main*) 33](#_Toc418550501)

[BAB 4 BAB IVZZZZZ IMPLEMENTASI 34](#_Toc418550502)

[4.1 Lingkungan Implementasi 34](#_Toc418550503)

[4.2 Implementasi 34](#_Toc418550504)

[4.2.1 Parameter yang Digunakan 34](#_Toc418550505)

[4.2.2 Implementasi Fungsi readFile() 35](#_Toc418550506)

[4.2.3 Implementasi Fungsi generateKromosom() 36](#_Toc418550507)

[4.2.4 Implementasi Fungsi processCrossValidation() 37](#_Toc418550508)

[4.2.5 Implementasi Fungsi calculateFitFunc() 40](#_Toc418550509)

[4.2.6 Implementasi Fungsi doSelection() 45](#_Toc418550510)

[4.2.7 Implementasi Fungsi doCrossOver() 45](#_Toc418550511)

[4.2.8 Implementasi Fungsi doMutation() 47](#_Toc418550512)

[4.2.9 Implementasi Fungsi doEvaluation() 48](#_Toc418550513)

[4.2.10 Implementasi Program Utama 48](#_Toc418550514)

[BAB V UJI COBA DAN EVALUASI 50](#_Toc418550515)

[5.1 Lingkungan Uji Coba 50](#_Toc418550517)

[5.2 Data *Training* dan Data *Testing* 50](#_Toc418550518)

[5.3 Skenario dan Evaluasi Pengujian 52](#_Toc418550519)

[5.3.1 Skenario Uji Coba 1 52](#_Toc418550520)

[5.3.2 Skenario Uji Coba 2 54](#_Toc418550521)

[5.3.3 Skenario Uji Coba 3 55](#_Toc418550522)

[5.4 Analisis Hasil Uji Coba 57](#_Toc418550523)

[BAB 6 BAB VIZZZZZ KESIMPULAN DAN SARAN 59](#_Toc418550524)

[6.1 Kesimpulan 59](#_Toc418550525)

[6.2 Saran 59](#_Toc418550526)

[DAFTAR PUSTAKA 61](#_Toc418550527)

[LAMPIRAN 65](#_Toc418550528)

[BIODATA PENULIS 79](#_Toc418550529)

***[Halaman ini sengaja dikosongkan]***

# DAFTAR GAMBAR

[Gambar 2.1. Gambaran Stadium pada Kanker Colon [8] 8](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550656)

[Gambar 2.2. Ilustrasi Bit-String Encoding 11](#_Toc409550657)

[Gambar 2.3. Ilustrasi Two-Point Crossover 11](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550658)

[Gambar 2.4. Ilustrasi Bit Inversion 12](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550659)

[Gambar 2.5. Flowchart Genetic Algorithm 13](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550660)

[Gambar 2.6. Pseudocode Algoritma K-means 14](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550661)

[Gambar 2.7. Ilustrasi Algoritma K-NN. (a)1-Nearest Neighbor (b)2-Nearest Neighbor (c) 3-Nearest Neighbor 15](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550662)

[Gambar 2.8. Pseudocode Algoritma K-NN 15](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550663)

[Gambar 2.9. Pseudocode Algoritma PCA (1) 16](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550664)

[Gambar 2.10. Pseudocode Algoritma PCA (2) 17](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550665)

[Gambar 3.1. Alur proses program 20](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550666)

[Gambar 3.2. Pseudocode Principal Component Analysis 22](#_Toc409550667)

[Gambar 3.4. Pseudocode Fungsi Generate Kromosom 23](#_Toc409550668)

[Gambar 3.3. Representasi Kromosom 23](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550669)

[Gambar 3.5. Ilustrasi Implementasi Algoritma K-means dan K-nearest Neighbor pada Fungsi Menghitung Fitness Value 24](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550670)

[Gambar 3.6. Pseudocode Fungsi Menghitung Fitness Value 25](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550671)

[Gambar 3.7. Pseudocode Fungsi Seleksi 26](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550672)

[Gambar 3.8. Pseudocode Fungsi Crossover 27](#_Toc409550673)

[Gambar 3.9. Pseudocode Fungsi Mutasi (1) 27](#_Toc409550674)

[Gambar 3.10. Pseudocode Fungsi Mutasi (2) 28](#_Toc409550675)

[Gambar 3.11 Pseudocode Fungsi Utama 28](#_Toc409550676)

[Gambar 5.1. Visualisasi 5-Crossvalidation 46](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550677)

[Gambar 5.2. Grafik Hasil Akurasi Skenario Uji Coba 1 48](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550678)

[Gambar 5.3. Grafik Hasil Running Time Skenario Uji Coba 1 48](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550679)

[Gambar 5.4. Grafik Hasil Akurasi Skenario Uji Coba 2 50](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550680)

[Gambar 5.5. Grafik Hasil Running Time Skenario Uji Coba 2 50](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550681)

[Gambar 5.6. Grafik Hasil Akurasi Skenario Uji Coba 3 51](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550682)

[Gambar 5.7. Grafik Hasil Running Time Skenario Uji Coba 3 52](file:///D:\KULIAH\SEMESTER%207\TA\BUKU%20TA\5111100013_Dini%20Putri%20Mandasari_Buku%20TA.docx#_Toc409550683)

***[Halaman ini sengaja dikosongkan]***

# DAFTAR TABEL

[Tabel 4.1. Tabel Parameter yang Digunakan 30](#_Toc409550684)

[Tabel 5.1. Tabel Perbandingan Hasil Akurasi dan Running Time 53](#_Toc409550685)

[Tabel A.1. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 1 61](#_Toc409550686)

[Tabel A.2. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 2 62](#_Toc409550687)

[Tabel A.3. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 3 63](#_Toc409550688)

[Tabel A.4. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 4 64](#_Toc409550689)

[Tabel A.5. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 5 65](#_Toc409550690)

[Tabel A.6. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 6 66](#_Toc409550691)

[Tabel A.7. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 7 67](#_Toc409550692)

[Tabel A.8. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 8 68](#_Toc409550693)

[Tabel A.9. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 9 69](#_Toc409550694)

[Tabel A.10. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 10 70](#_Toc409550695)

[Tabel A.11. Rekap Hasil Keluaran Program 10 Kali Percobaan pada Skenario Uji Coba 1 71](#_Toc409550696)

[Tabel A.12. Rekap Hasil Keluaran Program 10 Kali Percobaan pada Skenario Uji Coba 2 72](#_Toc409550697)

[Tabel A.13. Rekap Hasil Keluaran Program 10 Kali Percobaan pada Skenario Uji Coba 3 73](#_Toc409550698)

[Tabel A.14. Model Terbaik yang Dihasilkan 74](#_Toc409550699)

***[Halaman ini sengaja dikosongkan]***

# DAFTAR KODE SUMBER

[Kode Sumber 4.1. Kode Sumber Fungsi readFile (1) 30](#_Toc409550700)

[Kode Sumber 4.2. Kode Sumber Fungsi readFile (2) 31](#_Toc409550701)

[Kode Sumber 4.3. Kode Sumber Fungsi generateKromosom() 32](#_Toc409550702)

[Kode Sumber 4.4. Kode Sumber Fungsi processCrossValidation (1) 32](#_Toc409550703)

[Kode Sumber 4.5. Kode Sumber Fungsi processCrossValidation (2) 33](#_Toc409550704)

[Kode Sumber 4.6. Kode Sumber Fungsi processCrossValidation (3) 34](#_Toc409550705)

[Kode Sumber 4.7. Kode Sumber Fungsi processCrossValidation (4) 35](#_Toc409550706)

[Kode Sumber 4.8. Kode Sumber Pemilihan Data sebagai Centroid 35](#_Toc409550707)

[Kode Sumber 4.9. Kode Sumber Perhitungan Nilai Disimilarity 36](#_Toc409550708)

[Kode Sumber 4.10. Kode Sumber Pengecekkan Anggota Cluster 36](#_Toc409550709)

[Kode Sumber 4.11. Kode Sumber Perbarui Nilai Centroid 37](#_Toc409550710)

[Kode Sumber 4.12. Kode Sumber Perhitungan Akurasi 38](#_Toc409550711)

[Kode Sumber 4.13. Kode Sumber Fungsi isCompleted() dan isDuplicated(2) 39](#_Toc409550712)

[Kode Sumber 4.14. Kode Sumber Fungsi Check() 39](#_Toc409550713)

[Kode Sumber 4.15. Kode Sumber Fungsi doSelection() 40](#_Toc409550714)

[Kode Sumber 4.16. Kode Sumber Individu yang Tidak Dikenai Crossover 40](#_Toc409550715)

[Kode Sumber 4.17. Kode Sumber Individu yang Dikenai Crossover 41](#_Toc409550716)

[Kode Sumber 4.18. Kode Sumber Fungsi doMutation() 42](#_Toc409550717)

[Kode Sumber 4.19. Kode Sumber Fungsi doEvaluation() 43](#_Toc409550718)

[Kode Sumber 4.20. Kode Sumber Program Utama 44](#_Toc409550719)

***[Halaman ini sengaja dikosongkan]***

# BAB I PENDAHULUAN

## Latar Belakang

Sistem informasi akademik telah menjadi elemen penting dalam sebuah institusi akademik karena kemampuan sistem ini yang dapat mengatur proses bisnis besar seperti perguruan tinggi [1]. Sistem informasi akademik yang dibangun merupakan sistem informasi untuk menangani pengelolaan dan penyajian data-data akademik yang dibutuhkan oleh mahasiswa dan pengguna yang membutuhkan data dan informasi yang disediakan oleh sistem [2]. Sistem informasi akademik mewadahi proses belajar mengajar yang didalamnya terdapat sistem untuk memandu mengenai materi apa saja yang diajarkan. Kegiatan belajar mengajar dilakukan sesuai dengan perencanaan mengenai materi apa yang hendak diajarkan, cara pengajaran dan hasil yang diharapkan dari kegiatan belajar mengajar tersebut. [3]

Banyaknya civitas akademik yang membutuhkan data dan informasi dari sistem informasi akademik, menyebabkan sistem informasi ini harus dapat menyesuaikan kebutuhan permintaan data dan informasi bagi pengguna-penggunanya. Selain itu, kemajuan teknologi informasi menyebabkan ketidaksesuaian spesifikasi sistem informasi akademik dengan teknologi saat ini. Perbedaan proses bisnis dan kebijakan-kebijakan akademik antara sebuah perguruan tinggi dengan lainnya tentu berbeda. Hal inilah yang mengakibatkan permintaan pembuatan sistem informasi akademik cenderung menjadi perangkat lunak berdasarkan kebutuhan bersifat khusus. Tentunya, hal ini akan lebih banyak membuang biaya pada tahapan analisis kebutuhan.

Untuk menangani perbedaan-perbedaan fungsionalitas tersebut, dibutuhkan sebuah perangkat lunak yang memiliki fungsional-fungsional bersifat generik dan dapat digunakan pada perguruan tinggi manapun atau sering disebut dengan *generic software*, agar dapat mengatasi solusi perbedaan kebijakan yang terjadi di berbagai perguruan tinggi dan kemudahan untuk menyesuaikan kebutuhan-kebutuhan pada perguruan tinggi atau dapat diartikan sebagai kemudahan dalam berevolusi. Produk *generic software* disiapkan untuk mendukung proses bisnis suatu organisasi dengan kebutuhan yang beragam, seperti contoh *Enterprise Resource Planning* (ERP) dan sistem *Customer Relationship Management* (CRM), memiliki karakter modularitas yang tinggi dan dapat diatur. Pengguna dapat memilih bagian dari modul-modul yang ada sesuai dengan kebutuhan organisasi tersebut, kemudahan atau biaya [4].

Dalam Tugas Akhir ini, sistem akan merancang perangkat lunak sistem informasi akademik yang bersifat *generic software* dan mudah dievolusi (fungsi modularitas) pada modul Mata kuliah dengan basis web. Modul ini akan mewadahi pengelolaan kurikulum hingga pemetaannya menjadi capaian pembelajaran mata kuliah dan pembuatan rencana pembelajaran tiap pembelajaran. Perumusan kurikulum institut yang akan menghasilkan capaian pembelajaran pada program studi ditentukan oleh profil lulusan perguruan tinggi sebagai standar minimal kompetensi yang harus dimiliki. Untuk menentukan pada bidang yang spesifik dari peserta didik, maka akan diturunkan ke masing-masing program studi. Setelah dari program studi, terdapat rumusan apa saja yang akan diberikan pada mahasiswa dalam bentuk mata kuliah. Dari mata kuliah akan dipecah lagi menjadi apa saja yang dipelajari dalam mata kuliah tersebut sehingga mahasiswa yang sudah mengambil mata kuliah bersangkutan dapat memenuhi kebutuhan sebagai mahasiswa yang sudah lulus pada mata kuliah tersebut.

Aplikasi akan menggunakan kerangka kerja Spring dan penggunaan basis data PostgreSQL. Penggunaan pola perancangan perangkat lunak *Hierarchical Model-View-Controller* (HMVC) digunakan dalam merancang modul mata kuliah ini.

## Rumusan Masalah

Rumusan masalah yang diangkat dalam Tugas Akhir ini dapat dipaparkan sebagai berikut:

* + - 1. Bagaimana mendapatkan proses bisnis secara generik pada modul mata kuliah di perguruan tinggi?
      2. Bagaimana merumuskan kebutuhan fungsional dan non-fungsional setelah mendapatkan proses bisnis pengelolaan mata kuliah di perguruan tinggi secara generik?
      3. Bagaimana melakukan pemetaan dari kurikulum perguruan tinggi menjadi capaian pembelajaran tiap mata kuliah?
      4. Bagaimana membangun purwarupa yang dapat menyediakan kebutuhan pengelolaan mata kuliah sesuai dengan proses bisnis perguruan tinggi?

## Batasan Masalah

Permasalahan yang dibahas dalam Tugas Akhir ini memiliki beberapa batasan, yaitu sebagai berikut:

1. Rancang bangun modul Mata Kuliah ini menggunakan kerangka kerja Spring dan penggunaan basis data PostgreSQL.
2. Modul mata kuliah ini dibangun pada basis web.
3. Rancang bangun dilakukan pada modul mata kuliah untuk kebutuhan jenjang pendidikan perguruan tinggi.
4. Kerangka kerja modularitas dan evolusi pada modul ini menggunakan topik Tugas Akhir dari S. A. Wijaya [5] yang berjudul “Rancang Bangun Kerangka Kerja Sistem Informasi Akademik Modular Berbasis Web dengan Pola Arsitektur *Hierarchical Model-View-Controller*”.
5. Kerangka kerja sinkronisasi pada modul ini menggunakan topik Tugas Akhir dari T. Nurwantoro [6] yang berjudul “Kerangka Kerja Sinkronisasi Basis Data Relasional pada Sistem Informasi Akademik Berbasis Web”.
6. Survei yang dilakukan dalam menentukan lingkup perbedaan proses bisnis modul matakuliah dilakukan dengan metode wawancara pada Universitas Negeri Surabaya (UNESA), Universitas Airlangga (UNAIR), Universitas Pembangunan Negara (UPN) Veteran, Universitas Narotama (UNNAR), Institut Teknologi Sepuluh Nopember (ITS) dan Politeknik Elektronika Negeri Surabaya (PENS).
7. Proses bisnis yang dijadikan alur proses bisnis modul matakuliah adalah proses bisnis yang mayoritas dimiliki oleh tiap perguruan tinggi atau perbedaan jenis proses bisnis sehingga harus dilakukan aturan yang sifatnya dinamis.

## Tujuan

Tugas Akhir ini mempunyai beberapa tujuan, yaitu sebagai berikut:

1. Menghasilkan sebuah sistem informasi akademik yang memiliki proses bisnis umum yang dapat mewadahi perbedaan proses bisnis di beberapa jenis perguruan tinggi.
2. Membangun sebuah sistem informasi akademik dengan kemudahan konfigurasi untuk diterapkan mengikuti proses bisnis di pegruruan tinggi masing-masing.
3. Menyediakan sebuah sistem informasi akademik yang sifatnya modular dengan arsitektur perangkat lunak HMVC.
4. Mempermudah sistematika pembuatan kurikulum baru dan pemetaannya kelak ke penilaian dari tiap-tiap kompetensi individu dengan proses bisnis yang umum.
5. Membuat purwarupa modul matakuliah sesuai dengan kebutuhan fungsional dan non-fungsional dari sistem informasi akademik.

## Manfaat

Dengan dibuatnya Tugas Akhir ini maka akan didapatkan sebuah perangkat lunak sistem informasi akademik pada modul mata kuliah yang mampu mewadahi perbedaan proses bisnis dalam pengelolaan mata kuliah dan mudah dievolusi dengan penggunaan pola perancangan HMVC.

## Metodologi

Tahapan-tahapan yang dilakukan dalam pengerjaan Tugas Akhir ini adalah sebagai berikut:

1. Penyusunan proposal Tugas Akhir.

Tahap awal untuk memulai pengerjaan Tugas Akhir adalah penyusunan proposal Tugas Akhir. Proposal Tugas Akhir yang diajukan memiliki gagasan yang sama dengan Tugas Akhir ini, yaitu rancang bangun sistem informasi akademik pada modul mata kuliah dengan menggunakan pola perancangan HMVC

1. Studi literatur

Pada tahap ini dilakukan perumusan awal proses bisnis pada modul mata kuliah di ITS untuk dijadikan pembanding dengan proses bisnis modul mata kuliah di perguruan tinggi lain. Perumusan awal dilakukan dengan pembelajaran dan pengumpulan informasi yang terkait dengan pengelolaan kurikulum di ITS. Informasi dan literatur didapatkan dari literatur buku, peraturan akademik Indonesia dan ITS, serta sumber-sumber informasi lain yang berhubungan.

1. Survei dan wawancara

Tahap ini meliputi wawancara pada narasumber dari UNESA, UNAIR, UPN Veteran, UNNAR dan PENS. Wawancara dilakukan dengan memberikan tabel perbandingan antara analisis awal proses bisnis modul mata kuliah dan melihat persamaan atau perbedaan dengan proses bisnis di perguruan tinggi lain.

1. Analisis dan desain perangkat lunak

Tahap ini meliputi perumusan kebutuhan fungsional dan non-fungsional dari modul mata kuliah dan pembuatan rancangan basisdata secara keseluruhan sistem dan masing-masing modul. Selain itu, tahapan ini juga dilakukan pembelajaran kerangka kerja Spring-HMVC yang dibuat oleh Tugas Akhir S. A. Wijaya [5] dan perancangan antarmuka untuk halaman-halaman pada modul mata kuliah.

1. Implementasi perangkat lunak

Implementasi merupakan tahap membangun rancangan program yang telah dibuat. Pada tahapan ini merealisasikan apa yang terdapat pada tahapan sebelumnya, sehingga menjadi sebuah program yang sesuai dengan apa yang telah direncanakan.

1. Pengujian dan evaluasi

Pada tahapan ini dilakukan uji coba pada perangkat lunak dengan pengujian *black box.*

1. Penyusunan buku Tugas Akhir.

Pada tahapan ini disusun buku yang memuat dokumentasi mengenai pembuatan serta hasil dari implementasi perangkat lunak yang telah dibuat.

## Sistematika Penulisan Laporan Tugas Akhir

Buku Tugas Akhir ini bertujuan untuk mendapatkan gambaran dari pengerjaan Tugas Akhir ini. Selain itu, diharapkan dapat berguna untuk pembaca yang tertarik untuk melakukan pengembangan lebih lanjut. Secara garis besar, buku Tugas Akhir terdiri atas beberapa bagian seperti berikut ini:

**Bab I Pendahuluan**

Bab yang berisi mengenai latar belakang, tujuan, dan manfaat dari pembuatan Tugas Akhir. Selain itu permasalahan, batasan masalah, metodologi yang digunakan, dan sistematika penulisan juga merupakan bagian dari bab ini.

**Bab II Dasar Teori**

Bab ini berisi penjelasan secara detail mengenai dasar-dasar penunjang dan teori-teori yang digunakan untuk mendukung pembuatan Tugas Akhir ini.

**Bab III Perancangan Perangkat Lunak**

Bab ini berisi tentang desain sistem yang disajikan dalam bentuk *pseudocode*.

**Bab IV Implementasi**

Bab ini membahas implementasi dari desain yang telah dibuat pada bab sebelumnya. Penjelasan berupa *code* yang digunakan untuk proses implementasi.

**Bab V Uji Coba dan Evaluasi**

Bab ini menjelaskan kemampuan perangkat lunak dengan melakukan pengujian kebenaran dan pengujian kinerja dari sistem yang telah dibuat.

**Bab VI Kesimpulan dan Saran**

Bab ini merupakan bab terakhir yang menyampaikan kesimpulan dari hasil uji coba yang dilakukan dan saran untuk pengembangan perangkat lunak ke depannya.

# BAB II TINJAUAN PUSTAKA

Bab ini berisi penjelasan teori-teori yang berkaitan dengan rancang bangun sistem informasi akademik pada modul mata kuliah yang diajukan pada pengimplementasian program. Penjelasan ini bertujuan untuk memberikan gambaran secara umum terhadap program yang dibuat dan berguna sebagai penunjang dalam pengembangan perangkat lunak.



## Mata Kuliah

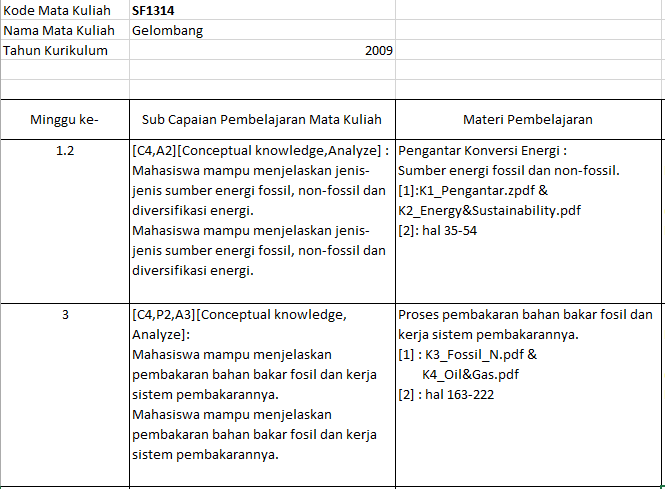
Pengertian “mata kuliah” dalam Kamus Besar Bahasa Indonesia adalah satuan pelajaran yang diajarkan di tingkat perguruan tinggi. Mata Kuliah merupakan perwujudan kurikulum pendidikan tinggi yang dikembangkan oleh Standar Nasional Pendidikan Tinggi untuk setiap program studi [7].

Mata Kuliah memiliki standar proses pembelajaran yang merupakan kriteria minimal tentang pelaksanaan pembelajaran pada program studi untuk memperoleh capaian pembelajaran lulusan. Standar proses pembelajaran tersebut mencakup karakteristik proses pembelajaran, perencanaan proses pembelajaran, pelaksanaan proses pembelajaran dan beban belajar mahasiswa [8]. Proses pembelajaran memiliki Rencana Pembelajaran Semester atau istilah lainnya sebagai bentuk tertulis proses mengajar dari pengajar.

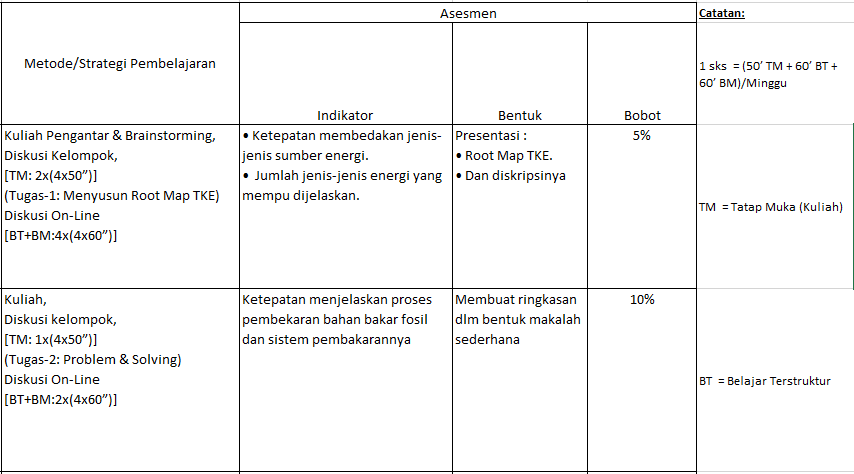
Rencana pembelajaran disusun untuk setiap mata kuliah [8] dan dikembangkan/ditetapkan oleh pengajar secara mandiri atau bersama. Rencana pembelajaran ini paling sedikit memuat :

* Nama program studi, nama dan kode mata kuliah, semester, sks, nama dosen pengampu
* Capaian pembelajaran lulusan yang dibebankan pada mata kuliah
* Kemampuan akhir yang direncanakan pada tiap tahap pembelajaran untuk memenuhi capaian pembelajaran lulusan
* Bahan kajian yang terkait dengan kemampuan yang akan dicapai
* Metode pembelajaran
* Waktu yang disediakan untuk mencapai kemampuan pada tiap tahap pembelajaran
* Pengalaman belajar mahasiswa yang diwujudkan dalam deskripsi tugas yang harus dikerjakan oleh mahasiswa selama satu semester
* Kriteria, indikator, dan bobot penilaian
* Daftar referensi yang digunakan

Berikut adalah Gambar 2.1 hingga Gambar 2. 2 adalah contoh rencana pembelajaran di lingkungan Institut Teknologi Sepuluh Nopember Surabaya pada minggu ke-1 hingga minggu 3 pada mata kuliah Gelombang dengan kode mata kuliah SF1314.



Gambar 2. 1 Contoh Rencana Pembelajaran (1)

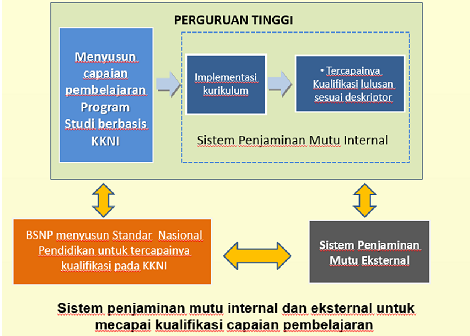


Gambar 2. 2 Contoh Rencana Pembelajaran (2)

## KKNI

KKNI atau Kerangka Kualifikasi Nasional Indonesia kerangka penjenjangan kualifikasi kompetensi yang dapat menyandingkan, menyetarakan, dan mengintegrasikan antara bidang pendidikan dan bidang pelatihan kerja serta pengalaman kerja dalam rangka pemberian pengakuan kompetensi kerja sesuai dengan struktur pekerjaan di berbagai sektor [8]. *Learning outcome* atau capaian pembelajaran diambil dari deskripsi kualifikasi KKNI, yang kelak akan diperoleh seorang peserta didik melalui jalur pendidikan, pelatihan, pengalaman kerja dan pembelajaran mandiri. Sedangkan untuk bentuk dari jalur-jalur tersebut diwujudkan dalam capaian pembelajaran, ilmu pengetahuan, pengetahuan praktis, keterampilan, afeksi dan kompetensi.

Menjamin agar pembelajaran pada program studi, penelitian, dan pengabdian kepada masyarakat yang diselenggarakan oleh perguruan tinggi di seluruh wilayah hukum Negara Kesatuan Republik Indonesia mencapai mutu adalah salah satu tujuan adanya Standar Nasional Pendidikan Tinggi [8]. Hal ini menjadikan penjaminan mutu pendidikan harus dilaksanakan bagi tiap-tiap perguruan tinggi dan pelaksanaannya adalah sebagai acuan dalam menjalankan fungsi-fungsi pokok tujuan pembelajaran.

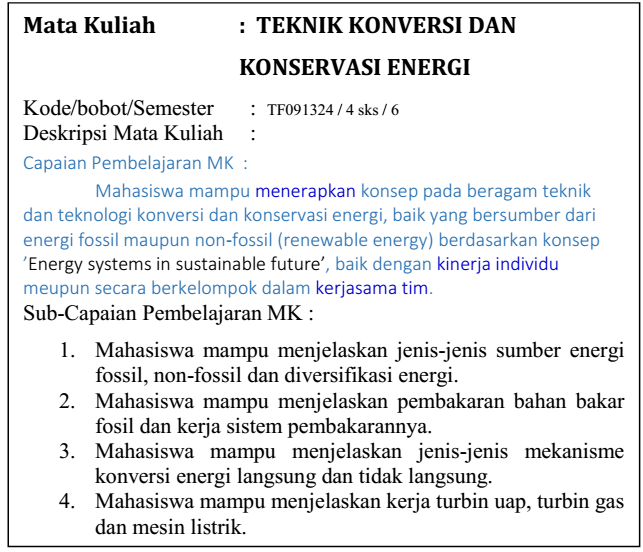


Gambar 2. 3 Penjaminan Mutu KKNI [3]

Gambar 2. 1 menunjukkan penjaminan mutu pada proses pembelajaran di mana kurikulum tersebut dijalankan. Hubungan antara KKNI dengan mutu pendidikan terdapat pada capaian belajar, yang dalam hal ini dijadikan parameter. Bentuk capaian belajar ini merupakan poin-poin yang harus dicapai oleh elemen yang mengikuti proses pembelajaran [3]. Capaian belajar akan memenuhi standar KKNI, jika objek dari pelaksanaan kurikulum mampu mencapai capaian belajar tersebut.

Sebagai contoh, ITS menerapkan kurikulum dalam bentuk 3 jenjang [3], yaitu capaian pembelajaran tingkat institut, capaian pembelajaran program studi dan capaian pembelajaran mata kuliah. Capaian pembelajaran institut bersifat umum dan langsung mengacu pada kebutuhan institusi, serta kesesuaian dengan KKNI. Pada capaian pembelajaran program studi, capaian merupakan rumusan dari profil lulusan dari program studi tersebut dan menjadikan hal ini sebagai parameter standar mutu untuk kualitas lulusan. Sedangkan pada capaian pembelajaran mata kuliah, capaian akan lebih spesifik untuk mengatur mata kuliah dan lulusan dari mata kuliah tersebut akan dikatakan memenuhi mutu apabila peserta didik mampu memenuhi keseluruhan capaian pembelajaran mata kuliah.

Contoh capaian pembelajaran mata kuliah dapat dilihat pada Gambar 2. 2 .



Gambar 2. 4 Capaian Pembelajaran Mata Kuliah di ITS [3]

## *Hierarchical Model-View-Controller* (HMVC)

Pengembangan dari arsitektur perangkat lunak *Model-View-Controller* (MVC), *Hierarchical Model-View-Controller* (HMVC), adalah sebuah arsitektur perangkat lunak MVC yang diimplementasikan secara hirarkis.



Gambar 2. 5 Arsitektur Perangkat Lunak HMVC

HMVC dapat menjadi solusi untuk meningkatkan modularitas kode program dan *reusability* [9]. Pada Tugas Akhir ini, kerangka kerja HMVC yang ditunjukkan pada Gambar 2. 3 akan diimplementasikan oleh S. A. Wijaya [5].

## Kerangka Kerja Spring

Spring adalah salah satu kerangka kerja aplikasi untuk aplikasi berbasis Java atau sering disebut dengan JEE (*Java Entrprise Edition*) [10]. Spring menangani infrastruktur sistem, sehingga kita dapat berfokus pada lapisan aplikasi. Kerangka kerja Spring terdiri dari fitur-fitur yang diatur hingga 20 modul. Modul-modul ini dikelompokkan menjadi *Core Container, Data Access/Integration, Web, AOP* (*Aspect Oriented Programming*), *Instrumentation* dan *Test* [11].



Gambar 2. 6 Gambaran Umum Kerangka Kerja Spring

Dalam pengerjaan Tugas Akhir ini, penggunaan modul kerangka kerja Spring yang ditunjukkan pada Gambar 2. 4 adalah JDBC, *Transaction*, Web-Servlet, Beans dan Context.

### JDBC (*Java Database Connectivity*) [12]

JDBC API merupakan Java API yang mampu mengakses beragam jenis data tabular, terutama data yang tersimpan dalam basisdata relasional. Kemampuan JDBC terdiri dari 3 hal, yaitu menyambungkan sumber data dari basisdata, mengirimkan *query* dan perubahan pada basisdata, melakukan pengolahan dan temu kembali data yang diterima dari basisdata untuk *query* yang dikirimkan pengguna.

Arsitektur JDBC mendukung proses model untuk arsitektur dua lapisan (*two-tier*) dan tiga lapisan (*three-tier*) untuk akses ke basisdata. Pada Gambar 2. 7 dan Gambar 2. 8 akan dijelaskan mengenai visualisasi arsitektur dari JDBC.



Gambar 2. 7 Arsitektur JDBC pada Arsitektur *Two-Tier*

Pada Gambar 2. 7 diatas, aplikasi Java atau biasa disebut dengan Java Applet melakukan penyampaian data langsung pada sumber data. Tentunya ini dibutuhkan JDBC yang dapat mengakses kebutuhan aplikasi terhadap data di sumber data. Pengguna mengirimkan *query* pada basisdata atau sumber data lainnya dan hasil data akan dikirimkan kembali pada pengguna. Sumber data pada arsitektur ini ditempatkan pada mesin lainnya yang terkoneksikan dengan jaringan internet



Gambar 2. 8 Arsitektur JDBC pada Arsitektur *Three-Tier*

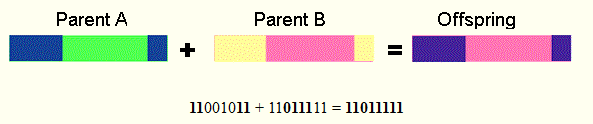
Berbeda dengan arsitektur *three-tier*, pada Gambar 2. 8 perintah-perintah akan dikirimkan pada *“middle tier”* dari *service*, kemudian perintah-perintah tersebut diteruskan menuju sumber data. Sumber data akan melakukan pengolahan perintah dan mengirimkan permintaan data kembali pada *“middle tier”*dan dikirimkan ke pengguna.

### *Transaction*

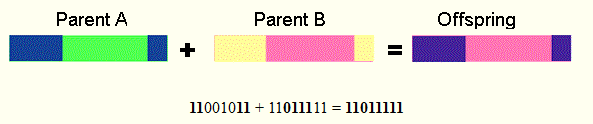
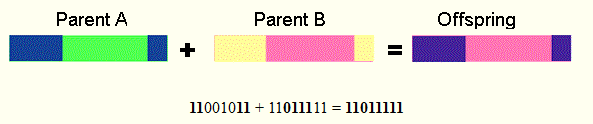
Seleksiadalah operasi memilih invidu baru sebagai *parent*. Pemilihan yang dilakukan berdasarkan hasil *fitness value* yang dimiliki setiap individu. Ada berbagai jenis metode seleksi pada GA, salah satunya adalah *elitism. Elitism* adalah proses menyeleksi individu dengan mengambil beberapa individu terbaik. *Elitism* mampu dengan cepat meningkatkan performa GA karena teknik seleksi ini mampu mencegah hilangnya individu terbaik.

### Web-Servlet

*Crossover* adalah kawin saling, yaitu saling bertukarnya beberapa bagian pada dua individu *parent*, berdasarkan dari titik tertentu pada sebuah individu. Operasi ini dilakukan untuk mengaktifkan proses evolusi menuju ruang hasil yang lebih baik. Hal ini dikarenakan keturunan-keturunan yang dihasilkan mewarisi gen-gen yang baik dari kedua *parent* yang merupakan individu terbaik pula. Terdapat banyak sekali teknik *crossover,* salah satunya *two-point crossover,* dimana akan dipilih secara random titik awal dan titik akhir bagian dari individu yang dikenakan kawin silang [14]. Ilustrasi teknik *two-point crossover* ditunjukkan pada Gambar 2.3.



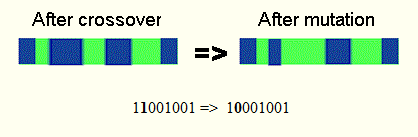
*Gambar 2.9. Ilustrasi Two-Point Crossover*



**11001011 + 11011111 = 11011100 dan 11001011**

### Mutasi

Mutasi adalah proses mengganti beberapa nilai gen pada kromosom untuk menghidari *local convergence* pada GA. Mutasi dilakukan bertujuan untuk menjaga variasi kromosom dari satu generasi ke generasi selanjutnya. Banyak sekali teknik mutasi, salah satunya adalah *bit inversion,* dimana gen yang dikenakan mutasi apabila bernilai 0 akan diubah menjadi 1, sedangkan yang bernilai 1 akan diubah menjadi 0 [14]. Ilustrasi teknik *bit inversion* ditunjukkan pada Gambar 2.4.



**11001001 => 10001001**

**Setelah Mutasi**

**Setelah *Crossover***

*Gambar 2.10. Ilustrasi Bit Inversion*

### Beans

Evaluasi pada GA adalah menghitung *fitness value* dari suatu individu/kromosom. *Fitness value* pada GA bermacam-macam, tergantung dengan permasalahan yang akan diselesaikan[14]. Pada tugas akhir kali ini, perhitungan *fitness value* menggunakan nilai akurasi metode *K-Nearest Neighbor* dari individu yang terbentuk.

### Context

*Stopping Criteria* adalah kriteria untuk menghentikan proses jalannya GA. Beberapa kriteria yang sering digunakan antara lain [21]:

1. Telah tercapainya generasi yang diinginkan.
2. Dalam beberapa generasi berturut-turut didapatkan nilai *fitness* tertinggi yang tidak berubah-ubah.
3. Dalam *n* generasi berikutnya tidak didapatkan nilai *fitness* yang lebih tinggi dari sebelumnya.

Pada pengerjaan tugas akhir kali ini, kriteria yang digunakan adalah telah tercapainya jumlah generasi yang diinginkan.

Secara keseluruhan, tahapan GA dirangkum dalam sebuah f*lowchart* yang ditunjukkan pada Gambar 2.5.

*Gambar 2.11. Flowchart Genetic Algorithm*

## *K-Means*

*K-Means* adalah salah satu algoritma klastering (pengelompokkan) yang paling populer. Algoritma ini mengelompokkan objek ke beberapa klaster, dimana jumlah klaster telah ditentukan sebelumnya. *K-Means* dimulai dengan pemilihan *centroid* (titik tengah) secara random, satu untuk masing-masing klaster. Setelah itu, masing-masing data yang ingin dikelompokkan dihitung jaraknya (*disimilarity*) dengan masing-masing *centroid.* Perhitungan *disimilarity* dilakukan menggunakan *Euclidian Distance* denganrumus [3]:

|  |  |
| --- | --- |
|  | (2.1) |

Setelah dilakukan perhitungan *disimilarity*, data tersebut akan dikelompokkan ke dalam klaster yang mempunya nilai jarakpaling kecil. Iterasi terus dilakukan sampai *stopping criteria* terpenuhi. Dalam hal ini, *stopping criteria* yang digunakan adalah data dalam sebuah klaster tidak berubah-ubah lagi. *Pseudocode* algoritma *K-Means* ditunjukkan pada Gambar 2.6.

**Masukan** : K : Jumlah klaster

D : Dataset yang terdiri dari n objek

**Keluaran** : Beberapa klaster yang masing-masing berisi

beberapa data

**Metode** :

* 1. Pilih secara acak k objek sebagai *centroid.*
  2. *do*
  3. Masukkan masing-masing objek ke klaster yang mempunyai nilai disimilaritas paling rendah (jarak paling kecil) berdasarkan rata-rata klaster.
  4. Perbarui terus nilai rata-rata klaster
  5. *until* data dalam klaster tidak berubah

*Gambar 2.12. Pseudocode Algoritma K-means*

## *K-Nearest Neighbor*

*K-Nearest Neighbour* (K-NN) adalah algoritma klasifikasi sederhana yang menyimpan semua data (kasus) dan mengklasifikasikan data (kasus) baru berdasarkan nilai similaritas. Algoritma K-NN sudah digunakan sejak 1970 di berbagai kasus klasifikasi. K-NN digunakan ketika seluruh atribut bernilai kontinu [5]. Dimulai dengan penentuan jumlah tetangga atau nilai *k* sebagai inisialisasi. Selanjutnya dihitung jarak (*disimilarity*) antara data *testing* dengan data *training* sesuai dengan persamaan 2.1.

+

+

+

+

+

**x**

**x**

+

**x**

+

+

+

+

+

+

+

+

+

+

+

+

(a) (b) (c)

*Gambar 2.13. Ilustrasi Algoritma K-NN. (a)1-Nearest Neighbor (b)2-Nearest Neighbor (c) 3-Nearest Neighbor*

*Pseudocode* algoritma K-NN dapat dilihat pada Gambar 2.8.

**Step 1)** Masukkan nilai *k*

**Step 2)** Cari *k* data terdekat dengan data yang

belum diketahui kelasnya menggunakan

persamaan 2.1.

*Gambar 2.14. Pseudocode Algoritma K-NN*

## *Principal Component Analysis*

Metode *Principal Component Analysis* (PCA) dibuat pertama kali oleh para ahli statistik dan ditemukan oleh Karl Pearson pada tahun l90l yang memakainya pada bidang biologi. Perkembangannya baru mulai pesat pada akhir tahun l930 dan awal 1940. Setelah itu, perkembangan PCA agak berkurang hingga ditemukannya komputer. Dunia komputer mampu mengaplikasikan teknik ini pada masalah-masalah yang masuk akal [20].

PCA adalah teknik yang digunakan untuk menyederhanakan suatu data. Data akan ditransformasi secara linier ke dalam sistem koordinat yang baru. Pereduksian dimensi oleh PCA mampu mengurangi besar dimensi tanpa mengurangi karakteristik data tersebut secara signifikan. Metode ini mengubah sebagian besar variabel asli yang saling berkorelasi menjadi satu himpunan variabel baru yang lebih kecil dan tidak berkorelasi lagi [12].

Diberikan dataset matriks *X* berukuran (*n*x*D*) yang terdiri dari *n* observasi dengan *D* dimensi. Tahapan algoritma PCA dapat dilihat pada Gambar 2.9 dan Gambar 2.10.

*Gambar 2.15. Pseudocode Algoritma PCA (1)*

1. Hitung matriks varians-kovarian. Diagonal mengandung nilai varians dan sisi lainnya mengandung nilai kovarians.

|  |  |
| --- | --- |
|  | (2.2) |
|  | (2.3) |

Dimana dan adalah data dan dan adalah rata – rata dari masing – masing atribut data.

1. Hitung nilai eigen *λ* dan vektor eigen ***v***

|  |  |
| --- | --- |
|  | (2.4) |

Dimana Ʃ adalah kovarians matriks, λ adalah eigen value dan *v* adalah eigen vektor.

*Gambar 2.16. Pseudocode Algoritma PCA (2)*

1. Urutkan nilai eigen secara *descending* untuk menentukan pengambilan jumlah principal komponen yang dibutuhkan. Berapa persen varians yang terjelaskan merepresentasikan berapa persen informasi yang diambil dan terdapat kesepakatan menurut skala kaiser mayer olkin sebagai berikut :

*Tabel 2.2. Skala Kaiser Mayer Olkin (KMO)*

|  |  |
| --- | --- |
| **SKALA KAISER MAYER OLKIN** | |
| 0,9 | Sangat Baik |
| 0,8 | Baik |
| 0,7 | Cukup |
| 0,6 | Kurang |
| 0,5 | Jelek |
| <0,5 | Tidak dapat diterima |

1. Selanjutnya dicari nilai loading *l* untuk masing – masing variabel.

|  |  |
| --- | --- |
|  | (2.5) |

1. Pada persamaan diatas skor komponen adalah *Y*, dimana merupakan perkalian antara vektor eigen dengan matriks *X* yang telah dinormalisasi menggunakan persamaan 2.7.

## Normalisasi

Normalisasi adalah teknik *preprocessing* untuk melakukan penskalaan dan penstandaran data. Dua contoh normalisasi yang dikenal adalah normalisasi skala dan normalisasi *Gaussian* (standardisasi).

### Normalisasi Skala

Normalisasi skala yaitu melakukan penskalaan data pada rentang tertentu, dimana rentang yang umum digunakan adalah rentang 0-1. Normalisasi ini bertujuan untuk menghindari rentang data yang terlalu jauh. Rumus untuk menghitung normalisasi skala adalah [22]:

|  |  |
| --- | --- |
|  | (2.6) |

### Normalisasi *Gaussian*

Standardisasi adalah proses pembuatan data berdistribusi normal (0,1). Proses ini sangat berguna untuk mengecilkan varians secara total, sehingga tidak ada dominasi varians pada beberapa data/atribut. Proses ini sangat penting untuk dilakukan, khususnya pada tahap PCA. Rumus untuk menghitung standardisasi adalah sebagai berikut [22]:

|  |  |
| --- | --- |
|  | (2.7) |

# BAB III DESAIN PERANGKAT LUNAK

Pada bab ini akan dijelaskan perancangan program yang dibuat. Perancangan akan dibagi menjadi dua proses utama, yaitu:

1. *Preprocessing* untuk menormalisasi dataset serta mereduksi dimensi menggunakan PCA.
2. Pengimplementasian *Genetic Algorithm* dan *K-Means* untuk membangun model terbaik yang diikuti dengan perhitungan keakuratan model menggunakan algoritma *K-Nearest Neighbor.*

Pada bab ini akan dijelaskan gambaran umum setiap program utama dalam *flowchart* selanjutnya untuk penjelasan lebih detail akan disajikan dalam *pseudocode*.



## Desain Metode Secara Umum

Metode ini hanya memiliki satu tahap inti, yaitu tahap membangun model terbaik menggunakan *Genetic Algorithm* dan *K-Means.* Dimulai dari inputan berupa dataset hasil tahap *preprocessing.* Kemudian selanjutnya adalah tahap inti yaitu *Genetic Algorithm* dan *K-Means* untuk membangun model terbaik. Terakhir adalah hasil klasifikasi dan perhitungan akurasi dari data *testing* terhadap model terbaik yang telah terbentuk pada tahap sebelumnya menggunakan *K-Nearest Neighbor*. Diagram alur dari proses ditunjukkan oleh Gambar 3.1.

K-NN *Classification*

K-NN *Classification*

Normalisasi

Reduksi dimensi fitur menggunakan PCA

*Preprocessing*

*Processing*

Data *Training*

*Genetic Algorithm*

Data Training 1 + parameter *K-Means*

Data Training 2 + parameter *K-Means*

Data Training n + parameter *K-Means*

*K-Means clustering*

*K-Means clustering*

*K-Means clustering*

K-NN *Classification*

Perhitungan Performa

Data *Testing*

Model Terbaik

*Gambar 3.1. Alur proses program*

## *Preprocessing*

Dalam mengawali proses pengerjaan program, maka harus disiapkan terlebih dahulu data yang akan digunakan dalam proses pengerjaan. *Preprocessing* adalah tahapan yang penting untuk dilakukan. Pada tugas akhir kali ini, tahap *preprocessing* yang dilakukan adalah normalisasi dan reduksi dimensi fitur.

### Normalisasi

Normalisasi yang dilakukan adalah normalisasi *gaussian* atau standardisasi. Hal ini membuat data berdistribusi normal (0,1). Perhitungan nilai normalisasi menggunakan persamaan 2.7.

### Reduksi Dimensi Atribut

Dataset kanker *colon* mempunyai dimensi fitur yang besar, yaitu 2000 atribut. Besarnya dimensi fitur tentu akan sangat mempengaruhi kecepatan (*running time*) dalam proses pengolahan data. Oleh karena itu, perlu dilakukan reduksi dimensi fitur.

*Principal Component Analysis* (PCA) yaitu metode yang dapat mentransformasikan fitur ke dimensi lain dengan menghitung tingkat kepentingan informasi yang akan diambil. Sebelum melakukan PCA, data harus distandardisasi terlebih dahulu karena akan mempengaruhi nilai eigen yang dihasilkan. Jumlah nilai eigen yang terbentuk dari proses PCA harus sama dengan jumlah atribut. Standardisasi dilakukan untuk menghilangkan efek dominasi varians suatu variabel terhadap varaibel lain.

Pengerjaan normalisasi dan reduksi dimensi atribut menggunakan *library* matlab, dimana masukan dalam proses ini adalah matriks data kanker *colon. Pseudocode* PCA dapat dilihat pada Gambar 3.2.

|  |  |
| --- | --- |
| Masukan | Matriks data kanker *colon* |
| Keluaran | Data yang telah distandardisasi, nilai loading, nilai eigen, skor komponen, varians terjelaskan |
| * 1. data = data kanker *colon*   2. dataNormal = standardisasi(data)   3. [COEFF,SCORE,LATENT] = princomp(dataNormal)   4. varTerjelaskan = cumsum(LATENT) / sum(LATENT) | |

*Gambar 3.2. Pseudocode Principal Component Analysis*

COEFF menunjukkan nilai loading, SCORE menunjukkan nilai skor komponen, dan LATENT menunjukkan nilai eigen yang dihasilkan.

Dari nilai eigen yang dihasilkan, dapat dihitung nilai varians yang terjelaskan dari sejumlah fitur baru yang diambil tersebut. Pada tugas akhir kali ini, diambil fitur sejumlah total varians terjelaskan >= 99.98% yang menurut skala Kaiser-mayor olkin data tersebut berkriteria sangat baik. Oleh karena itu, atribut yang awalnya berjumlah 2000 artribut disusutkan menjadi 61 atribut. Hanya 61 atribut ini sajalah yang akan terus digunakan untuk tahapan selanjutnya.

## *Processing*

Pada bagian ini dijelaskan *pseudocode* dari metode *Genetic Algorithm* (GA). Metode GA mempunyai 6 fungsi utama, yaitu fungsi*generate* kromosom, fungsi menghitung *fitness value,* fungsi seleksi, fungsi *crossover,* dan fungsi mutasi. Penerapan algoritma GA ini menggunakan bahasa pemrogramanJava.

### Fungsi *Generate* Kromosom

Fungsi *generate* kromosom adalah fungsi pertama dalam algoritma genetik. Kromosom direpresentasikan dalam bilangan biner seukuran banyaknya fitur, yaitu 61 atribut. Atribut yang bernilai 1 akan digunakan untuk perhitungan selanjutnya, sedangkan atribut yang bernilai 0 tidak akan digunakan.

Selain itu, kromosom juga direpresentasikan dengan sebuah nilai sebagai parameter k pada *K-Means. Generate* bit dan nilai kromosom menggunakan fungsi yang sudah disediakan Java, yaitu Math.Random()*.* Representasi kromosom yang digunakan pada tugas akhir kali ini ditunjukkan pada Gambar 3.3.

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | .. | .. | 1 | 3 |

Bilangan biner berukuran banyaknya atribut

Parameter nilai *k*

*Gambar 3.3. Representasi Kromosom*

Input dari fungsi ini merupakan informasi banyaknya atribut hasil reduksi dimensi fitur oleh PCA, batas minimal dan maksimal parameter nilaiK untuk *K-Means*. Untuk inisialisasi awal, akan di-*generate* sebanyak 100 individu. *Pseudocode* fungsi *generate* kromosom dapat dilihat pada Gambar 3.4.

|  |  |
| --- | --- |
| Masukan | Informasi banyaknya atribut, batas minimal, dan maksimal parameter nilai *k* |
| Keluaran | Representasi kromosom sesuai dengan *Gambar 3.3* |
| * 1. individu = new byte[dimensi fitur]   2. for(int i=0; i<individu.length; i++)   3. individu[i] = *generate* bit   4. end for   5. int k = batas maksimal parameter nilai k   6. nilaiK = *generate* k | |

*Gambar 3.4. Pseudocode Fungsi Generate Kromosom*

### Fungsi Menghitung *Fitness Value*

Fungsi menghitung *fitness value* adalah fungsi untuk menghitung nilai *fitness* sebuah individu. Di dalam fungsi inilah letak implementasi algoritma *K-Means* dan *K-Nearest Neighbor.* Nilai *fitness* yang digunakan adalah nilai akurasi dari algoritma *K-Nearest Neighbor.* Data *training* akan dipisah antara label positif dan negatif kanker, yang kemudian masing-masing kelompok akan dikenakan algoritma *K-Means.* Data akan dikelompokkan sebanyak nilaiK kelompok. Pemisahan ini bertujuan untuk pemberian label data *testing* untuk evaluasi keakuratan prediksi kelas nantinya. Setelah terbentuk kelompok-kelompok, data *testing* akan dihitung jarak (atau nilai *disimilarity*) terhadap kelompok data *training*. Data *testing* dengan nilai jarak paling kecil atau kemiripan paling besar akan dilabeli dengan label kelompok tersebut. Jarak data *testing* dengan data *training* dihitung menggunakan *Euclidian Distance* seperti pada persamaan 2.1.

**Data yang belum diketahui labelnya**

**Dihitung kemiripannya dengan antar klaster**

**Klaster**

**1**

**Klaster**

**2**

**Klaster**

**3**

**Klaster**

**n**

**Kumpulan data *training* berlabel negatif**

**Klaster**

**1**

**Klaster**

**2**

**Klaster**

**3**

**Klaster**

**n**

**Kumpulan data *training* berlabel positif**

*Gambar 3.5. Ilustrasi Implementasi Algoritma K-means dan K-nearest Neighbor pada Fungsi Menghitung Fitness Value*

**Data yang sudah diketahui labelnya**

Gambar 3.5. adalah ilustrasi implementasi algoritma *K-Means* dan *K-Nearest Neighbor* pada fungsi menghitung *fitness value*. Data yang telah dilabeli akan dihitung keakuratan prediksi kelasnya. Akurasi dihitung menggunakan rumus:

(3.1)

Di mana *True Positive* adalah jumlah data yang diklasifikasikan dengan tepat.

Input atau masukan pada fungsi ini berupa data *training* yang disimpan dalam *Arraylist* bertipe *Double[],* kromosom seperti Gambar 3.3, dan data *testing* yang juga disimpan dalam *Arraylist* bertipe *Double[]*. *Pseudocode* fungsi menghitung *fitness value* dapat dilihat pada Gambar 3.6.

|  |  |
| --- | --- |
| Masukan | Data *training*, kromosom, dan data *testing* |
| Keluaran | Akurasi |
| 1. for(int i=0; i<nilaiK; i++) 2. centroid[i] = *generate centroid* 3. Menyimpan data c*entroid* 4. end for 5. do 6. Hitung *Euclidian distance* antara data *training* dengan *centroid* 7. Kelompokkan data ke-n dalam *cluster* k sesuai dengan hasil *Euclidian distance* terkecil 8. Update rata-rata *centroid* masing-masing *cluster* 9. until data dalam *cluster* k tetap 10. for(int i=0; i<jumlah data *testing*;i++) 11. Hitung similarity 12. Labeli data *testing* dengan label kelompok yang memilki nilai similarity terbesar 13. end for 14. return akurasi | |
| ***Gambar 3.6. Pseudocode Fungsi Menghitung Fitness Value*** | |

### Fungsi Seleksi

Fungsi seleksi yang digunakan adalah teknik *Elitism,* di mana akan dilakukan pengurutan semua individu dari yang mempunyai nilai akurasi terbesar hingga terkecil. Populasi yang mempunyai nilai akurasi 50 terbesar akan terpilih untuk diikutsertakan pada proses generasi selanjutnya. Proses ini menjamin tidak akan ada solusi yang lebih buruk. Solusi yang didapatkan pada tiap proses nantinya adalah solusi yang sama atau lebih baik dari solusi terbaik sebelumnya. Hal ini tentu saja akan menjamin tersedianya kromosom berkualitas baik untuk generasi selanjutnya. *Pseudocode* fungsi seleksidapat dilihat pada Gambar 3.7.

|  |  |
| --- | --- |
| Masukan | Seluruh individu |
| Keluaran | 50 individu terbaik |
| 1. Hitung nilai akurasi setiap individu 2. Urutkan dari terbesar hingga terkecil 3. Pilih 50 individu terbaik untuk diikutsertakan pada proses selanjutnya | |

***Gambar 3.7.*** ***Pseudocode Fungsi Seleksi***

### Fungsi *Crossover*

Fungsi *crossover*adalah fungsi yang digunakan untuk menghasilkan keturunan baru melalui kawin silang (*crossover*). Dalam fungsi ini, akan dipilih dua individu random sebagai *parent.* Dua *parent* ini memiliki dua kemungkinan, yaitu dikenakan kawin silang dan tidak dikenakan kawin silang. Keputusan untuk dikenakan atau tidak dikenakan berdasarkan pada nilai random [0,1] dan batas *threshold* kawin silang (*crossover rate*). Digunakan *crossover rate* bernilai 0.7. Tipe kawin silang yang digunakan adalah *two-point crossover,* dimana akan dipilih secara random titik awal dan titik akhir bagian dari individu yang dikenakan kawin silang. Ilustrasi *two-point crossover* telah ditunjukkan pada Gambar 2.3. *Pseudocode* fungsi c*rossover*dapat dilihat pada Gambar 3.8.

|  |  |
| --- | --- |
| Masukan | Dua individu sebagai *parent, a*ngka random [0,1] |
| Keluaran | Dua individu baru hasil kawin silang |
| 1. for(int i=0; i<maxIndividu; i++) 2. *Generate* nilai [0,1] 3. if(nilai<*crossover rate*) 4. Tidak terjadi kawin silang 5. Dua individu baru = *parent* 6. else 7. Random bit keberapa yang akan dikenakan kawin silang 8. Dua individu baru = dua individu hasil kawin silang 9. end for | |

*Gambar 3.8. Pseudocode Fungsi Crossover*

### Fungsi Mutasi

Fungsi mutasiadalah fungsi yang digunakan untuk menghasilkan keturunan baru melalui mutasi individu. Akan dilakukan pengacakan nilai secara random [0,1] untuk memutuskan apakah sebuah individu dikenakan mutasi atau tidak. Apabila nilai yang keluar lebih kecil dari threshold mutasi (*mutation rate*), maka individu tidak akan dimutasi, begitu pula sebaliknya. Nilai *mutation rate* yang digunakan adala 0.1 dengan tipe mutasi yang dilakukan adalah *bit inversion*. Ilustrasi *bit inversion* telah ditunjukkan pada Gambar 2.4. *Pseudocode* fungsi mutasidapat dilihat pada Gambar 3.9. dan Gambar 3.9.

|  |  |
| --- | --- |
| Masukan | Individu hasil kawin silang*, a*ngka random [0,1] |
| Keluaran | Dua individu baru hasil mutasi |
| 1. for(int i=0; i<maxPopulation; i++) 2. *Generate* nilai [0,1] 3. if(nilai<*mutation rate*) 4. Tidak terjadi mutasi 5. Individu baru = *parent* | |

*Gambar 3.9. Pseudocode Fungsi Mutasi (1)*

|  |
| --- |
| 1. else 2. Random bit keberapa yang akan dikenakan mutasi 3. Individu baru = individu hasil mutasi 4. end for |

*Gambar 3.10. Pseudocode Fungsi Mutasi (2)*

### Program Utama (*main*)

Program utama atau sering disebut dengan fungsi *main* berisi tentang proses memanggil kembali lima fungsi utama yang telah dijelaskan pada sub-bab sebelumnya, yaitu fungsi*generate* kromosom, fungsi menghitung *fitness value*, fungsi seleksi, fungsi *crossover* danfungsi mutasi**,** ditambah dengan tiga fungsi tambahan yaitu fungsi membaca dataset dalam format excel, fungsi melakukan *crossvalidation,*dan fungsi evaluasi.

*Input* dari program utama adalah dataset kanker *colon.* Berhubung jumlah data/*record* yang sedikit pada dataset ini, maka pengujian menggunakan 5-crossvalidation, dimana lima bagian data awal menjadi data *testing* dan sisanya menjadi data *training*. Pun begitu untuk lima bagian kedua dan seterusnya. *Pseudocode* fungsi *main* dapat dilihat pada Gambar 3.11.

|  |  |
| --- | --- |
| Masukan | data |
| Keluaran | Model dengan akurasi terbaik |
| 1. Memanggil fungsi readFile 2. for(int i=0; i<maxGeneration; i++) 3. Memanggil fungsi generateKromosom 4. Memanggil fungsi processCrossValidation untuk pembagian data *testing* dan data *training* 5. Memanggil fungsi doSelection 6. Memanggil fungsi doCrossover 7. Memanggil fungsi doMutation 8. Memanggil fungsi doEvaluation 9. end for | |

*Gambar 3.11 Pseudocode Fungsi Utama*

# BAB IVZZZZZ IMPLEMENTASI

Pada bab ini akan dibahas mengenai implementasi yang dilakukan berdasarkan rancangan yang telah dijabarkan pada bab sebelumnya. Sebelum penjelasan implementasi akan ditunjukkan terlebih dahulu lingkungan untuk melakukan implementasi.

## Lingkungan Implementasi

Lingkungan implementasi yang akan digunakan untuk melakukan implementasi adalah *Eclipse* yang diinstal pada sistem operasi *Windows* 7.

## Implementasi

Pada subbab ini akan dijelaskan parameter yang digunakan dan implementasi setiap subbab yang terdapat pada bab sebelumnya yaitu bab perancangan program. Pada bagian implementasi ini juga akan dijelaskan mengenai fungsi-fungsi yang digunakan dalam program tugas akhir ini dan disertai dengan kode sumber masing-masing fungsi utama.

### Parameter yang Digunakan

Pada tugas akhir ini, penulis menggunakan strategi seleksi *elitism,* di mana akan dipilih 50 individu terbaik berdasarkan nilai *fitness*. Selain itu, penulis juga menggunakan tipe kawin siliang *two-point crossover* dan tipe mutasi *bit-inversion.* Parameter yang digunakan dapat dilihat pada Tabel 4.1*.*

*Tabel 4.1. Tabel Parameter yang Digunakan*

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Parameter GA [19]** | **Nilai** | **Parameter *K-Means*** | **Nilai** | **Parameter K-NN** | **Nilai** |
| Jumlah populasi | 100 | Minimal *Cluster* | 2 | Jumlah tetangga terdekat | 1 |
| Jumlah generasi | 10 |
| *Crossover rate* | 0.7 |
| *Mutation rate* | 0.1 | Maksimal *Cluster* |  |
| Individu yang dipilih (elitism) | 50 |
| Jumlah *running* percobaan | 10 |

### Implementasi Fungsi readFile()

Fungsi **readFile()** adalah fungsi untuk membaca data dari Microsoft Excel yang kemudian akan disimpan dalam variabel dataset bertipe ArrayList<Double []>. Implementasi fungsi ini dapat dilihat pada Kode Sumber 4.1 dan Kode Sumber 4.2.

|  |  |
| --- | --- |
|  | public static int readFile() throws FileNotFoundException |
|  | { |
|  | FileInputStream fstream =  new FileInputStream( |
|  | + "D:\\""KULIAH\\SEMESTER 7\\TA\\" |
|  | + "cobaHubJavaMatlab\\cobaHubJavaMatlab" |
|  | + "\\dataResult.csv"); |

*Kode Sumber 4.1. Kode Sumber Fungsi readFile (1)*

|  |  |
| --- | --- |
|  | DataInputStream in =  new DataInputStream(fstream); |
|  | BufferedReader br =  new BufferedReader  (new InputStreamReader(in)); |
|  | String strLine = null; |
|  | String[] hasilSplit; |
|  |  |
|  | try { |
|  | while ((strLine = br.readLine()) != null){ |
|  | hasilSplit = strLine.split(","); |
|  | jmlAtribut = hasilSplit.length; |
|  | Double[] hasilSplit2 =  new Double[jmlAtribut]; |
|  | for(int i=0; i<jmlAtribut; i++) |
|  | { |
|  | hasilSplit2[i]=Double.parseDouble  (hasilSplit[i]); |
|  | } |
|  | dataset.add(hasilSplit2); |
|  | } |
|  | } catch (IOException ex) { |
|  | Logger.getLogger(main.class.getName()).  log(Level.SEVERE, null, ex); |
|  | } |

*Kode Sumber 4.2. Kode Sumber Fungsi readFile (2)*

Fungsi utama untuk membaca file dari Microsoft Excel terdapat pada baris 4 sampai 22. Baris 30 menjelaskan tentang pembagian jumlah data per bagiannya apabila dilakukan *5-crossvalidation*.

### Implementasi Fungsi generateKromosom()

Fungsi **generateKromosom()** digunakan untuk me-*generate* bilangan biner random sebanyak 61 bit (sebanyak jumlah atribut). Bilangan biner ini pada akhirnya akan merepresentasikan sebuah individu. Atribut yang dikenai nilai 1 akan digunakan dalam perhitungan, begitu pula sebaliknya. Implementasi fungsi **generateKromosom()** dapat dilihat pada Kode Sumber 4.3.

|  |  |
| --- | --- |
| 1 | public static void generateKromosom(){ |
| 2 | individu = new byte[geneLength]; |
| 3 | for(int i=0; i<individu.length; i++){ |
| 4 | byte gen = (byte)Math.round(Math.random()); |
| 5 | individu[i]=gen; |
| 6 | } |
| 7 | } |

*Kode Sumber 4.3. Kode Sumber Fungsi generateKromosom()*

### Implementasi Fungsi processCrossValidation()

Fungsi **processCrossValidation()** digunakan sebagai metode pengelompokkan data *training* dan data *testing*. Setelah mendapatkan banyak data per bagiannya pada Kode Sumber 4.2, maka 5 bagian pertama akan digunakan sebagai data *testing*, sedangkan sisanya sebagai data *training*. Setelah itu, secara bergantian 5 bagian kedua digunakan sebagai data *testing*, sisanya sebagai data *training*. Begitu seterusnya hingga 5 bagian terakhir digunakan sebagai data *testing* dan sisanya sebagai data *training*. Implementasi fungsi **processCrossValidation()** dapat dilihat pada Kode Sumber 4.4, Kode Sumber 4.5, Kode Sumber 4.6, dan Kode Sumber 4.7.

|  |  |
| --- | --- |
|  | public static void processCrossValidation(){ |
|  | tempAcc = new Integer[5]; |
|  | for(int i=0; i<crossval; i++){ |
|  | dataTesting.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  |  |
|  | for(int i=crossval; i<dataset.size(); i++){ |
|  | if(dataset.get(i)[jmlAtribut-1]==1) |
|  | trainingPositive.add(dataset.get(i)); |
|  | else |
|  | trainingNegative.add(dataset.get(i)); |

*Kode Sumber 4.4. Kode Sumber Fungsi processCrossValidation (1)*

|  |  |
| --- | --- |
|  | } |
|  | calculateFitFunc(nilaiK); |
|  | tempAcc[0] = acc; |
|  |  |
|  | for(int i=crossval; i<2\*crossval; i++){ |
|  | dataTesting.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  |  |
|  | for(int i=0; i<crossval; i++){ |
|  | if(dataset.get(i)[jmlAtribut-1]==1) |
|  | trainingPositive.add(dataset.get(i)); |
|  | else |
|  | trainingNegative.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  |  |
|  | for(int i=2\*crossval; i<dataset.size(); i++){ |
|  | if(dataset.get(i)[jmlAtribut-1]==1) |
|  | trainingPositive.add(dataset.get(i)); |
|  | else |
|  | trainingNegative.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  | calculateFitFunc(nilaiK); |
|  | tempAcc[1] = acc; |
|  |  |
|  | for(int i=2\*crossval; i<3\*crossval; i++){ |
|  | dataTesting.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  |  |
|  | for(int i=0; i<2\*crossval; i++){ |
|  | if(dataset.get(i)[jmlAtribut-1]==1) |
|  | trainingPositive.add(dataset.get(i)); |
|  | else |
|  | trainingNegative.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  | for(int i=0; i<2\*crossval; i++){ |
|  |  |
|  | for(int i=3\*crossval; i<dataset.size(); i++){ |
|  | if(dataset.get(i)[jmlAtribut-1]==1) |
|  | trainingPositive.add(dataset.get(i)); |

*Kode Sumber 4.5. Kode Sumber Fungsi processCrossValidation (2)*

|  |  |
| --- | --- |
|  | else |
|  | trainingNegative.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  | calculateFitFunc(nilaiK); |
|  | tempAcc[2] = acc; |
|  |  |
|  | for(int i=3\*crossval; i<4\*crossval; i++){ |
|  | dataTesting.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  |  |
|  | for(int i=0; i<3\*crossval; i++){ |
|  | if(dataset.get(i)[jmlAtribut-1]==1) |
|  | trainingPositive.add(dataset.get(i)); |
|  | else |
|  | trainingNegative.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  |  |
|  | for(int i=4\*crossval; i<dataset.size(); i++){ |
|  | if(dataset.get(i)[jmlAtribut-1]==1) |
|  | trainingPositive.add(dataset.get(i)); |
|  | else |
|  | trainingNegative.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  | calculateFitFunc(nilaiK); |
|  | tempAcc[3] = acc; |
|  |  |
|  | for(int i=4\*crossval; i<dataset.size(); i++){ |
|  | dataTesting.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  |  |
|  | for(int i=0; i<4\*crossval; i++){ |
|  | if(dataset.get(i)[jmlAtribut-1]==1) |
|  | trainingPositive.add(dataset.get(i)); |
|  | else |
|  | trainingNegative.add(dataset.get(i)); |
|  | } |
|  |  |
|  | calculateFitFunc(nilaiK); |
|  | tempAcc[4] = acc; |

*Kode Sumber 4.6. Kode Sumber Fungsi processCrossValidation (3)*

|  |  |
| --- | --- |
|  | acc = 0; |
|  | for(int i=0; i<tempAcc.length; i++){ |
|  | acc += tempAcc[i]; |
|  | } |
|  | accuracy = ((double) acc/ (double)dataset.size())\*100; |
|  | acc = 0; |
|  | } |

*Kode Sumber 4.7. Kode Sumber Fungsi processCrossValidation (4)*

### Implementasi Fungsi calculateFitFunc()

Fungsi **calculateFitFunc()** digunakan untuk menghitung akurasi tiap individu yang dihasilkan. Pada fungsi ini, akan diimplementasikan algoritma *K-Means* dan *K-Nearest Neighbor* dalam perhitungan akurasinya. Pada algoritma *K-Means,* langkah pertama yang harus dilakukan adalah memilih data sebagai centroid. Proses tersebut diimplementasikan pada Kode Sumber 4.8.

|  |  |
| --- | --- |
|  | Random rands = new Random(); |
|  | int total\_elements\_cnt = 0; |
|  | boolean loop\_status = true; |
|  |  |
|  | while(loop\_status){ |
|  | int next\_num = rand.nextInt(dataP-1); |
|  | if(!isCompleted()){ |
|  | if(!isDuplicated(next\_num)){ |
|  | centroidP[total\_elements\_cnt] = next\_num; |
|  | total\_elements\_cnt++; |
|  | } |
|  | else |
|  | continue; |
|  | } |
|  | else |
|  | loop\_status = false; |
|  | } |

*Kode Sumber 4.8. Kode Sumber Pemilihan Data sebagai Centroid*

Langkah selanjutnya adalah menghitung kedekatan data dengan seluruh *centroid*. Pengimplementasian rumus *Euclidian Distance* untuk menghitung jarak ditunjukkan pada Kode Sumber 4.9.

|  |  |
| --- | --- |
|  | for(int i=0; i<trainingPositive.size(); i++){ |
|  | for(int j=0; j<centroidP.length; j++){ |
|  | for(int l=0; l<jmlAtribut-1; l++){ |
|  | if(individu[l]==1){ |
|  | tampung += Math.pow((trainingPositive.get(i)[l] - meanPerClusterP.get(j)[l]),2); |
|  | } |
|  | } |
|  | distance = Math.sqrt(tampung); |
|  | distPositiveClass[i][j] = distance; |
|  | tampung=0; distance=0; |
|  | } |
|  | } |

*Kode Sumber 4.9. Kode Sumber Perhitungan Nilai Disimilarity*

Perlu dilakukan pengecekkan anggota setiap klaster sebagai acuan berhentinya proses *K-Means.* Apabila anggota dalam klaster saat ini sama dengan iterasi sebelumnya, maka proses berhenti. Implementasi pengecekkan anggota klaster ditunjukkan pada Kode Sumber 4.10.

|  |  |
| --- | --- |
|  | for(int i=0; i<trainingPositive.size(); i++){ |
|  | double temp = distPositiveClass[i][0]; |
|  | for(int j=0; j<centroidP.length; j++){ |
|  | if(distPositiveClass[i][j]<=temp){ |
|  | temp= distPositiveClass[i][j]; |
|  | data = i; |
|  | inCluster = j; |
|  | } |
|  | } |
|  | labelDataP[data] = inCluster; |
|  | } |

*Kode Sumber 4.10. Kode Sumber Pengecekkan Anggota Cluster*

Sesuai dengan Kode Sumber 4.10, apabila anggota klaster saat ini tidak sama dengan iterasi sebelumnya, maka proses akan berjalan terus. Ketika proses berlanjut ke iterasi selanjutnya, perlu dilakukan peng-*update*-an nilai centroid. Implementasi peng-*update*-an nilai centroid ditunjukkan pada Kode Sumber 4.11.

|  |  |
| --- | --- |
|  | int count=0; |
|  | double tempMeanP=0; |
|  |  |
|  | for(int i=0; i<numb; i++){ |
|  | for(int j=0; j<jmlAtribut-1; j++){ |
|  | (int l=0; l<labelDataP.length; l++){ |
|  | if(labelDataP[l]==i){ |
|  | if(individu[j]==1){ |
|  | tempMeanP += trainingPositive.get(l)[j]; |
|  | } |
|  | count++; |
|  | } |
|  | else{ |
|  | tempMeanP += 0; |
|  | } |
|  | } |
|  | tempMeanPerAtribut[j] = (tempMeanP/count); |
|  | tempMeanP = 0; |
|  | count = 0; |
|  | } |
|  | tempMeanPerAtribut[jmlAtribut-1] = 1.0; |
|  | meanPerClusterP2.add(tempMeanPerAtribut); |
|  | meanPerClusterP.add(meanPerClusterP2.get(i).clone()); |
|  | } |

*Kode Sumber 4.11. Kode Sumber Perbarui Nilai Centroid*

Kode Sumber 4.8, Kode Sumber 4.9, Kode Sumber 4.10, dan Kode Sumber 4.11. adalah implementasi algoritma *K-Means* sebagai proses awal perhitungan nilai *fitness.* Keempat kode sumber tersebut hanya contoh pengimplementasian untuk kelompok data *training* yang berlabel positif saja. Perlu dilakukan pengimplementasi untuk kelompok data *training* yang berlabel negatif.

Setelah itu, akan dibandingkan antara *actual class* dengan *predicted class*-nya sesuai dengan perhitungan jarak (implementasi perhitungan jarak pada Kode Sumber 4.9). Pengimplementasian perhitungan akurasi pada *K-Nearest Neighbor* ditunjukkan pada Kode Sumber 4.12

|  |  |
| --- | --- |
|  | double a=0; int b=0; |
|  | for(int i=0; i<dataTesting.size();i++){ |
|  | a = dist[i][0]; |
|  | for(int j=0; j<clusterMix; j++){ |
|  | if(dist[i][j]<=a){ |
|  | a = dist[i][j]; |
|  | b=j; |
|  | } |
|  | } |
|  | if(b<meanPerClusterP.size()){ |
|  | predictClass[i] = 1.0; |
|  | } |
|  | else |
|  | predictClass[i] = 0.0; |
|  | } |
|  | acc=0; |
|  | for(int i=0; i<actualClass.length; i++){ |
|  | if(actualClass[i] == predictClass[i]){ |
|  | acc++; |
|  | } |
|  | } |

*Kode Sumber 4.12. Kode Sumber Perhitungan Akurasi*

Kembali ke algoritma *K-Means, s*aat pemilihan *centroid* awal, diharapkan tidak ada duplikasi data yang terpilih. Artinya apabila terdapat dua klaster dan data ke-1 terpilih sebagai *centroid* klaster pertama, maka dia tidak akan boleh terpilih sebagai *centroid* klaster kedua. Proses tersebut dicek menggunakan fungsi **isCompleted()** dan **isDuplicated().** Implementasi fungsi **isCompleted()** dan **isDuplicated()** dapat dilihat pada **Error! Reference source not found.**.

|  |  |
| --- | --- |
|  | public static boolean isCompleted(){ |
|  | boolean status = true; |
|  | for (int i = 0; i < centroidP.length; i++){ |
|  | if(centroidP[i]==0){ |
|  | status = false; |
| 1. 6 | break;}} |
| 1. 9 | return status; |
|  | } |
|  |  |
|  | public static boolean isDuplicated(int num){ |
|  | boolean status = false; |
|  | for (int i = 0; i < centroidP.length; i++){ |
|  | if(centroidP[i]== num){ |
|  | status = true; |
|  | break;}} |
|  | return status; |
|  | } |

*Kode Sumber 4.13. Kode Sumber Fungsi isCompleted() dan isDuplicated(2)*

Pada saat dilakukannya pengklasteran menggunakan *K-Means,* iterasi akan berhenti apabila komponen penyusun suatu klaster tidak akan berubah lagi. Untuk melakukan proses pengecekkan tersebut, maka dibuatlah sebuah fungsi **check().** Implementasi fungsi **check()** dapat dilihat pada Kode Sumber 4.14.

|  |  |
| --- | --- |
| 1 | static int check() |
| 2 | { |
| 3 | for(int i=0;i<labelDataP.length; i++) |
| 4 | { |
| 5 | if(tempLabelDataP[i]!=labelDataP[i]) |
| 6 | return 0; |
| 7 | } |
| 8 | return 1; |
| 9 | } |

*Kode Sumber 4.14. Kode Sumber Fungsi Check()*

### Implementasi Fungsi doSelection()

Implementasi fungsi **doSeelection()** digunakan untuk memilih 50 individu terbaik untuk diikutsertakan dalam proses kawin silang (crossover). Implementasi fungsi **doSelection()** dapat dilihat pada Kode Sumber 4.15.

|  |  |
| --- | --- |
| 1 | public static void doSelection(){ |
| 2 | for(int i=0; i<50; i++){ |
| 3 | selectedPop.add(populationSort.get(i)); |
| 4 | } |
| 5 | } |

*Kode Sumber 4.15. Kode Sumber Fungsi doSelection()*

### Implementasi Fungsi doCrossOver()

Implementasi fungsi **doCrossOver()** digunakan untuk mengawinkan dua individu sebagai *parent*. *Parent* dapat melakukan kawin silang ataupun tidak melakukan kawin silang tergantung dari hasil random apakah di atas/di bawah nilai *croossoverRate.* Kondisi dua individu yang tidak melakukan kawin silang terdapat pada Kode Sumber 4.16.

|  |  |
| --- | --- |
|  | Double rcross = Math.random(); |
|  | if(rcross<crossoverRate){ |
|  | offspring.add(new Individu(selectedPop.get(temp[i]).getIndex(),selectedPop.get(temp[i]).getKromosom(),selectedPop.get(temp[i]).getKromosomK(),selectedPop.get(temp[i]).getAccuracy())); |
|  | offspring.add(new Individu(selectedPop.get(temp[i+1]).getIndex(),selectedPop.get(temp[i+1]).getKromosom(),selectedPop.get(temp[i+1]).getKromosomK(),selectedPop.get(temp[i+1]).getAccuracy())); |
|  | } |

*Kode Sumber 4.16. Kode Sumber Individu yang Tidak Dikenai Crossover*

Sedangkan dua individu yang dapat melakukan kawin silang ditunjukkan pada Kode Sumber 4.17.

|  |  |
| --- | --- |
|  | else{ |
|  | Random rand = new Random(); |
|  | int poin[] = new int[2]; |
|  | poin[0] = rand.nextInt(individu.length)+1; |
|  | if(poin[0]==61){ |
|  | poin[1]=61; |
|  | } |
|  | else |
|  | poin[1]=poin[0] + rand.nextInt(individu.length-poin[0]); |
|  |  |
|  | byte[] tempInd = new byte[geneLength]; |
|  | int tempK=0, a=0, b=0; |
|  |  |
|  | a = temp[i]; |
|  | b = temp[i+1]; |
|  | tempInd=selectedPop.get(a).getKromosom().clone(); |
|  | tempK = selectedPop.get(b).getKromosomK(); |
|  |  |
|  | for(int j=(poin[0])-1; j<poin[1]; j++){ |
|  | tempInd[j]=selectedPop.get(b).getKromosom()[j]; |
|  | } |
|  | offspring.add(new Individu(selectedPop.get(a).getIndex(),tempInd,tempK,0)); |
|  | tempInd=selectedPop.get(b).getKromosom().clone(); |
|  | tempK = selectedPop.get(a).getKromosomK(); |
|  |  |
|  | for(int j=(poin[0])-1; j<poin[1]; j++){ |
|  | tempInd[j]=selectedPop.get(a).getKromosom()[j]; |
|  | } |
|  | offspring.add(new Individu(selectedPop.get(b).getIndex(),tempInd,tempK,0));}} |
|  | } |
|  | } |

*Kode Sumber 4.17. Kode Sumber Individu yang Dikenai Crossover*

### Implementasi Fungsi doMutation()

Implementasi fungsi **doMutation()** digunakan untuk menentukan apakah sebuah individu melakukan mutasi atau tidak. Implementasi fungsi **doMutation()** dapat dilihat pada Kode Sumber 4.18. Kondisi individu yang tidak dikenai mutasi terdapat pada baris 5 sampai 7. Sedangkan individu yang dikenai mutasi terdapat pada baris 8 sampai 35.

|  |  |
| --- | --- |
| 1 | public static void doMutation() |
| 2 | { |
| 3 | Double rmut = Math.random(); |
| 4 | if(rmut<mutationRate){ |
| 5 | //do nothing |
| 6 | } |
| 7 | else{ |
| 8 | Random rand = new Random(); |
|  | int m = rand.nextInt(geneLength)+1; |
|  | byte[] tempInd = new byte[geneLength]; |
|  | tempInd = offspring.get(i+2).getKromosom().clone(); |
|  | if(tempInd[m-1]==0){ |
|  | tempInd[m-1]=1; |
|  | } |
|  | else |
|  | tempInd[m-1]=0; |
|  |  |
|  | offspring.get(i+2).setKromosom(tempInd); |
|  | rand = new Random(); |
|  | int maxK = (int) Math.round(Math.sqrt((dataset.size())/2)); |
|  | int range = maxK - 2 + 1; |
|  | m = rand.nextInt(range) + 2; |
|  | while(Math.abs(m-offspring.get(i+2).getKromosomK())>2){ |
|  | rand = new Random(); |
|  | m = rand.nextInt(range)+2;} |
|  | offspring.get(i+2).setKromosomK(m); |
|  | offspring.get(i+2).setAccuracy(0.0);} |
|  | } |

*Kode Sumber 4.18. Kode Sumber Fungsi doMutation()*

### Implementasi Fungsi doEvaluation()

Implementasi fungsi **doEvaluation()** digunakan untuk mengevaluasi populasi yang terbentuk dan memilih lagi 50 populasi terbaik untuk diikutsertakan di generasi selanjutnya. Implementasi fungsi **doEvaluation()** dapat dilihat pada Kode Sumber 4.19.

|  |  |
| --- | --- |
| 1 | public static void doEvaluation(){ |
| 3 | nilaiK = 0; |
| 4 | for(int g=0; g<(offspring.size()-2); g++){ |
| 5 | int k = offspring.get(g+2).getKromosomK(); |
| 6 |  |
| 7 | processCrossValidation(); |
| 8 |  |
|  | Collections.sort(offspring, new Individu.CompAcc()); |
|  |  |
|  | population.clear(); |
|  |  |
|  | if(e==maxGeneration-1){ |
|  | population.add(offspring.get(0)); |
|  | } |
|  | else{ |
|  | for(int j=0; j<50; j++){ |
|  | population.add(offspring.get(j)); |
|  | } |
|  | } |
|  |  |
|  | printPopulation(); |
|  | offspring.clear(); |
|  | selectedPop.clear(); |
|  | } |

*Kode Sumber 4.19. Kode Sumber Fungsi doEvaluation()*

### Implementasi Program Utama

Program utama yang dibuat adalah program *callback* dimana dalam program utama ini hanya terdapat pemanggilan fungsi-fungsi yang telah dibuat sebelumnya. Implementasi fungsi utama dapat dilihat pada Kode Sumber 4.20.

|  |  |
| --- | --- |
| 1 | public static void main(String[] args) throws FileNotFoundException { |
| 2 |  |
| 3 | long startTime = System.currentTimeMillis(); |
| 4 | readFile(); |
| 6 | //Genetic Algorithm |
| 7 | for(e=0; e<maxGeneration; e++){ |
|  | if(e==0){ |
|  | for(int pop=0; pop<maxPopulation; pop++) |
|  | { |
|  | generateKromosom(); |
|  | Random rand = new Random(); |
|  | Int maxK = (int) Math.round(Math.sqrt((dataset.size())/2)); |
|  | int range = maxK - 2 + 1; |
|  | nilaiK = rand.nextInt(range) + 2; |
|  | processCrossValidation(); |
|  | population.add(new Individu(pop,individu,nilaiK,accuracy)); |
|  | } |
|  | } |
|  | populationSort = (ArrayList<Individu>) population.clone(); |
|  | Collections.sort(populationSort, new Individu.CompAcc()); |
|  |  |
|  | doSelection(); |
|  | doCrossover(); |
|  | doMutation(); |
|  | doEvaluation(); |
|  | System.out.println(""); |
|  | } |
|  | long endTime = System.currentTimeMillis(); |
|  | long totalTime = endTime - startTime; |
|  | System.out.println("Running time : "+totalTime+" ms"); |
|  | } |

*Kode Sumber 4.20. Kode Sumber Program Utama*

# BAB V UJI COBA DAN EVALUASI

Pada bab ini akan dijelaskan uji coba yang dilakukan pada aplikasi yang telah dikerjakan serta analisa dari uji coba yang telah dilakukan. Pembahasan pengujian meliputi lingkungan uji coba, skenario uji coba yang meliputi uji kebenaran dan uji kinerja serta analisa setiap pengujian.



## Lingkungan Uji Coba

Lingkungan uji coba menjelaskan lingkungan yang digunakan untuk menguji implementasi metode gabungan *Genetic Algorithm, K-Means,* dan *K-Nearest Neighbor* pada Tugas Akhir ini. Lingkungan uji coba meliputi perangkat keras dan perangkat lunak yang dijelaskan sebagai berikut:

Perangkat keras

Prosesor: Intel® Core™ i3-23100M CPU @ 2.10GHz

*Memory*(RAM): 4,00 GB

Tipe sistem: 32-bit sistem operasi

Perangkat lunak

Sistem operasi: *Windows* 7 *Home Professional.*

Perangkat pengembang: *Eclipse*.

## Data *Training* dan Data *Testing*

Pembagian data *training* dan data *testing* menggunakan metode *5-crossvalidation*, di mana data keseluruhan dibagi menjadi 5 bagian. Visualisasi *5-crossvalidation* dapat dilihat pada Gambar 5.1.

Pada *crossvalidation* yang pertama, bagian pertama dari data pasien akan digunakan sebagai data *testing*, sedangkan sisanya menjadi data *training*. Setelah itu, akan dilakukan proses pengklasteran menggunakan *K-Means* pada data *training* yang sebelumnya sudah dipisahkan antara kelompok data positif dan negatif. Data *testing* diuji kedekatan kelasnya antar kelompok menggunakan *K-Nearest Neighbor* yang kemudian data tersebut akan dilabeli dengan label kelompok terdekat. Lalu, dari kelas yang diprediksi dihitung berapa jumlah data yang berlabel sama dengan kelas. Pada *crossvalidation* yang kedua, bagian kedua dari data pasien akan digunakan sebagai data *testing*, sedangkan sisanya menjadi data *training*. Begitu terus hingga semua bagian data pasien pernah digunakan sebagai data *testing*. Hasil dari tahap *crossvalidation* ini adalah jumlah data yang berlabel sama dengan kelas sebenarnya yang kemudian dibagi dengan seluruh data untuk mendapatkan akurasi.

62 Data Pasien

12 Data Pasien

12 Data Pasien

12 Data Pasien

12 Data Pasien

14 Data Pasien

Data *Testing*

Data *Training*

*Gambar 5.1. Visualisasi 5-Crossvalidation*

## Skenario dan Evaluasi Pengujian

Uji coba ini dilakukan untuk menguji apakah fungsionalitas program telah diimplementasikan dengan benar dan berjalan sebagaimana mestinya. Uji coba akan didasarkan pada beberapa skenario untuk menguji kesesuaian dan kinerja aplikasi.

Skenario pengujian terdiri dari 3 pengujian yaitu:

Skenario perhitungan akurasi dan *running time* metode gabungan GA, *K-Means*, dan *K-Nearest Neighbor* dengan menggunakan PCA sebagai reduksi dimensi fitur.

Skenario perhitungan akurasi dan *running time* metode gabungan GA, *K-Means*, dan *K-Nearest Neighbor* tanpa menggunakan PCA.

Skenario perhitungan akurasi dan *running time* metode klasifikasi (*K-Nearest Neighbor*) biasa dengan beberapa percobaan parameter *k* dan menggunakan PCA sebagai reduksi dimensi fitur.

### Skenario Uji Coba 1

Skenario uji coba 1 adalah perhitungan akurasi dan *running time* metode gabungan GA, *K-Means*, dan *K-Nearest Neighbor* dengan menggunakan PCA sebagai reduksi dimensi fitur. Penulis mengambil hanya 61 atribut saja dari total 2000 atribut. Hal ini didasarkan pada nilai kumulatif varians yang menunjukkan bahwa ketika 61 atribut saja yang digunakan, maka data tetap akan mempunyai 99,98% informasi atau hanya kehilangan 0,02% informasi saja. Setelah itu data yang sudah direduksi fiturnya akan masuk ke dalam proses GA. Parameter-parameter yang digunakan pada proses GA telah dijelaskan pada Tabel 4.1.

Setelah dilakukan percobaan, maka harus dilakukan evaluasi untuk melihat sejauh mana kesesuaian program dengan data uji yang disediakan. Untuk menentukan kesesuaian keluaran dengan program dan analisa yang telah dibuat diperlukan pengujian akurasi dan *running time*. Perhitungan akurasi dilakukan menggunakan persamaan 3.1. Gambar 5.2 adalah grafik hasil akurasi skenario uji coba 1. Grafik hasil *running time* skenario uji coba 1 dapat dilihat pada Gambar 5.3.

*Gambar 5.2. Grafik Hasil Akurasi Skenario Uji Coba 1*

*Gambar 5.3. Grafik Hasil Running Time Skenario Uji Coba 1*

Pada akhir proses percobaan, didapatkan rata-rata nilai akurasi sebesar 89.52% dengan rata-rata hasil *running time* sebesar 46.92 sekon. Dalam 10 kali proses *running,* model terbaik yang pernah terbentuk adalah diikutsertakannya 39 atribut, yaitu atribut ke-1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 17, 22, 24, 25, 26, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 35, 36, 37, 38, 39, 44, 45, 47, 50, 52, 53, 54, 56, 57, dan 58 dengan nilai akurasi sebesar 93.55% dalam waktu 59.12 sekon. Hasil skenario uji coba 1 secara lengkap dapat dilihat pada LAMPIRAN.

### Skenario Uji Coba 2

Skenario uji coba 2 merupakan perhitungan akurasi metode GA, *K-Means*, dan *K-Nearest Neighbor* tanpa menggunakan PCA. Dataset yang digunakan sebagai masukan program adalah dataset dengan 2000 atribut dan 62 sampel.

Setelah dilakukan percobaan, maka harus dilakukan evaluasi untuk melihat sejauh mana kesesuaian program dengan data uji yang disediakan. Untuk menentukan kesesuaian keluaran dengan program dan analisa yang telah dibuat diperlukan pengujian akurasi. Pengujian akurasi dapat dilakukan dengan melihat kesesuaian hasil keluaran pada program dengan hasil *actual class* nya. Perhitungan akurasi dilakukan menggunakan persamaan 3.1. Grafik hasil akurasi skenario uji coba 2 dapat dilihat pada Gambar 5.4. dan grafik hasil *running time* skenario uji coba 2 dapat dilihat pada Gambar 5.5.

Pada akhir proses percobaan, didapatkan rata-rata nilai akurasi sebesar 92.90% dengan rata-rata hasil *running time* sebesar 31.12 menit. Dalam 10 kali proses *running,* akurasi terbaik yang pernah didapat sebesar 95.16% dalam waktu 30.97 menit. Hasil skenario uji coba 2 secara lengkap dapat dilihat pada LAMPIRAN

*Gambar 5.4. Grafik Hasil Akurasi Skenario Uji Coba 2*

*Gambar 5.5. Grafik Hasil Running Time Skenario Uji Coba 2*

### Skenario Uji Coba 3

Skenario uji coba 3 merupakan perhitungan akurasi dan *running time* metode klasifikasi (*K-Nearest Neighbor*) biasa dengan beberapa percobaan parameter *k* dan menggunakan PCA sebagai reduksi dimensi fitur. Dataset yang digunakan adalah dataset yang telah direduksi dimensi fiturnya sehingga tersisa hanya 61 atribut dan 62 sampel.

Setelah dilakukan percobaan, maka harus dilakukan evaluasi untuk melihat sejauh mana kesesuaian program dengan data uji yang disediakan. Untuk menentukan kesesuaian keluaran dengan program dan analisa yang telah dibuat diperlukan pengujian akurasi. Pengujian akurasi dapat dilakukan dengan melihat kesesuaian hasil keluaran pada program dengan hasil *actual class* nya. Grafik hasil akurasi skenario uji coba 2 dapat dilihat pada Gambar 5.6. dan grafik hasil running time skenario uji coba 2 dapat dilihat pada Gambar 5.7.

Pada akhir proses percobaan, didapatkan rata-rata nilai akurasi sebesar 77.42% dengan rata-rata hasil *running time* sebesar 1.17 sekon. Dari 10 variasi parameter *k* yang digunakan, didapatkan nilai akurasi terbaik yaitu 87.10% dengan waktu 1.34 sekon pada saat nilai *k*=1.

*Gambar 5.6. Grafik Hasil Akurasi Skenario Uji Coba 3*

*Gambar 5.7. Grafik Hasil Running Time Skenario Uji Coba 3*

## Analisis Hasil Uji Coba

Setelah dihitung rata-rata akurasi, pertanyaan yang sering muncul adalah apakah nilai rata-rata akurasi tersebut betul-betul representasi data yang baik dari akurasi hasil percobaan yang telah dilakukan. Oleh karena itu perlu pula dilakukan perhitungan standar deviasi untuk mengetahui rentang atau variasi hasil. Adapun rumus untuk menghitung standar deviasi adalah sebagai berikut:

|  |  |
| --- | --- |
|  | (5.1) |

dimana *S* adalah standar deviasi, *mean* adalah rata-rata data, dan *n* adalahjumlah data. Standar deviasi dapat menggambarkan seberapa jauh bervariasinya data. Jika nilai standar deviasi jauh lebih besar dari *mean,* maka nilai *mean* kurang merepresentasikan performa untuk semua data. Sedangkan jika nilai standar deviasi sangat kecil dibandingkan dengan *mean,* maka nilai mean dapat digunakan sebagai representasi dari keseluruhan data. Nilai standar deviasi dari hasil akurasi masing-masing skenario ditunjukkan pada Tabel 5.1.

*Tabel 5.1. Tabel Perbandingan Hasil Akurasi dan Running Time*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
|  | Skenario Uji Coba 1 | Skenario Uji Coba 2 | Skenario Uji Coba 3 |
| Mean Akurasi | 89.52% | 92.90% | 77.42% |
| Standar Deviasi Akurasi | 2.18 | 1.13 | 4.81 |
| Running Time | 46.92 s | 31.129 m | 1.17 s |

Berdasarkan Tabel 5.1., nilai standar deviasi yang dihasilkan sangat jauh lebih kecil daripada *mean.* Hal itu menunjukkan bahwa dalam kasus ini, *mean* merupakan representasi yang baik dari hasil percobaan. Selain itu, standar deviasi juga menyimpan informasi kefluktuatifan data. Semakin tinggi nilai standar deviasi, maka dapat dikatakan data semakin fluktuatif. Di antara tiga skenario yang diujicobakan, maka tingkat akurasi pada skenario uji coba 3 paling fluktuatif di antara dua skenario yang lain. Ditunjukkan pula bahwa skenario 1 mampu mereduksi waktu *running* hampir 40x lebih cepat dibandingkan dengan skenario uji coba 2.

***[Halaman ini sengaja dikosongkan]***

# BAB VIZZZZZ KESIMPULAN DAN SARAN

Bab ini membahas mengenai kesimpulan yang dapat diambil dari hasil uji coba yang telah dilakukan sebagai jawaban dari rumusan masalah yang dikemukakan. Selain kesimpulan, juga terdapat saran yang ditujukan untuk pengembangan penelitian lebih lanjut.

## Kesimpulan

Dari hasil uji coba yang telah dilakukan terhadap pembuatan model, dapat diambil kesimpulan sebagai berikut:

1. Metode gabungan *Genetic Algorithm, K-Means,* dan *K-Nearest Neighbor* dengan menggunakan PCA untuk mereduksi dimensi fitur dapat menghasilkan model terbaik untuk pengklasifikasian penyakit kanker *colon.*
2. Metode gabungan *Genetic Algorithm, K-Means,* dan *K-Nearest Neighbor* dengan menggunakan PCA untuk mereduksi dimensi fitur mampu menghasilkan model dengan tingkat akurasi 89.52% dalam waktu 46.92 sekon. Hal ini menunjukkan bahwa metode tersebut mampu mengurangi waktu *running* secara signifikan dengan selisih akurasi hanya 3.38%.
3. Akurasi terbaik yang didapatkan adalah 93.55% dengan pengikutsertaan 39 atribut, yaitu atribut ke-1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 17, 22, 24, 25, 26, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 35, 36, 37, 38, 39, 44, 45, 47, 50, 52, 53, 54, 56, 57, dan 58.

## Saran

Saran yang diberikan untuk pengembangan aplikasi ini adalah:

1. Untuk meningkatkan nilai akurasi, dapat dicoba untuk mengubah parameter GA yang digunakan, seperti jumlah populasi dan generasi.
2. Ada baiknya dibuatkan *user interface* yang memudahkan pengguna dalam memasukkan data dan melihat hasil keluarannya.

# DAFTAR PUSTAKA

|  |  |
| --- | --- |
| [1] | "Kanker Usus Besar," 27 Juni 2013. [Online]. Available: http://id.wikipedia.org/wiki/Kanker\_usus\_besar. [Accessed 9 September 2014]. |
| [2] | "Kanker Usus Besar," [Online]. Available: http://prodia.co.id/penyakit-dandiagnosa/. [Accessed 9 September 2014]. |
| [3] | B. Al-Shboul and S.-H. Myaeng, "Initializing K-Means using Genetic Algorithm," *World Academy of Science, Engineering and Technology,* vol. 54, 2009. |
| [4] | K.-j. Kim and H. Ahn, "A recommender system using GA K-means clustering," *Expert Systems with Applications,* vol. 34, pp. 1200-1209, 2008. |
| [5] | C. V. and N. Sumathi, "A Modified Genetic Algorithm Initializing K-Means Clustering," *Global Journal of Computer Science and Technology,* vol. 11, no. 2, 2011. |
| [6] | F. K. Wardhani, E. Suryani and A. Mukhlason, "Penerapan metode GA-Kmeans untuk pengelompokan pengguna pada Bapersip Provinsi Jawa Timur," *JURNAL TEKNIK POMITS,* vol. 1, no. 1, pp. 1-6, 2012. |
| [7] | M. A. Jabbar, B. L. Deekshatulu and P. Chandra, "Classification of Heart Disease Using K- Nearest Neighbor and," *International Conference on Computational Intelligence: Modeling Techniques and Applications,* vol. 10, pp. 85-94, 2013. |
| [8] | "Gejala Kanker Usus Besar (Kolon), Penyebab dan Pencegahan," [Online]. Available: http://gejalapenyakitmu.blogspot.com/2013/07/gejala-kanker-ususbesar-. [Accessed 30 September 2014]. |
| [9] | "Accuracy and Precision," [Online]. Available: http://en.wikipedia.org/wiki/Accuracy\_and\_precision. [Accessed 30 September 2014]. |
| [10] | "Using Matlab in Java," [Online]. Available: https://hive.asu.edu/minc/images/originalphotos/groupphotos/196/251/Using%20matlab%20in%20Java.pdf. [Accessed 20 Oktober 2014]. |
| [11] | "Matlab Control," [Online]. Available: https://code.google.com/p/matlabcontrol/. [Accessed 20 Oktober 2014]. |
| [12] | "Principal Component Analysis (#1)," 21 Januari 2012. [Online]. Available: http://tyangluhtu.wordpress.com/2012/01/21/principal-component-analysis/. [Accessed 5 November 2014]. |
| [13] | "Bioinformatics Research Group," [Online]. Available: http://www.upo.es/eps/bigs/datasets.html. [Accessed 29 September 2014]. |
| [14] | "Introduction to Genetic Algorithm," [Online]. Available: http://www.obitko.com/tutorials/genetic-algorithms/crossover-mutation.php. [Accessed 5 November 2014]. |
| [15] | "Stack Overflow," [Online]. Available: http://stackoverflow.com/questions/2784514/sort-arraylist-of-custom-objects-by-property. [Accessed 24 November 2014]. |
| [16] | "Evolutionary Algorithms 3 Selection," [Online]. Available: http://www.geatbx.com/docu/algindex-02.html#P363\_18910. [Accessed 24 November 2014]. |
| [17] | "Daniweb," 2013. [Online]. Available: https://www.daniweb.com/software-development/java/threads/447515/random-numbers-without-duplicates. [Accessed 24 November 2014]. |
| [18] | "Stikom Surabaya," [Online]. Available: http://sir.stikom.edu/10/5/BAB%20II.pdf. [Accessed 26 November 2014]. |
| [19] | M. S. Mohamad, S. Deris, S. M. Yatim and M. R. Othman, "FEATURE SELECTION METHOD USING GENETIC ALGORITHM FOR THE CLASSIFCATION OF SMALL AND HIGH DIMENSION DATA," *First International Symposium on Information and Communications Technologies,* 2004. |
| [20] | B. A. Minartiningtyas, "Informatika - Artikel Teknik Informatika dan Sistem Informasi," 2 Januari 2013. [Online]. Available: http://informatika.web.id/principal-component-analysis-pcaproyeksi-eigen.htm. [Accessed 5 Januari 2015]. |
| [21] | "Kecerdasan Buatan," [Online]. Available: http://file.upi.edu/Direktori/FPMIPA/JUR.\_PEND.\_FISIKA/196302071991031-WASLALUDDIN/Handout\_InsCer.pdf. [Accessed 27 12 2014]. |
| [22] | "Data Mining Research," 10 06 2007. [Online]. Available: http://www.dataminingblog.com/standardization-vs-normalization/. [Accessed 12 11 2014]. |

***[Halaman ini sengaja dikosongkan]***

# LAMPIRAN

*Tabel A.1. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 1*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Percobaan 1** | | | |
| **Generasi** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| 2 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| 3 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| 4 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| 5 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| 6 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| 7 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| 8 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| 9 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| 10 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **45.12** |

*Tabel A.2. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 2*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Percobaan 2** | | | |
| **Generasi** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| 2 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| 3 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| 4 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| 5 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| 6 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| 7 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| 8 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| 9 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| 10 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **40.064** |

***Tabel A.3.* *Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 3***

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Percobaan 3** | | | |
| **Generasi** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| 2 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| 3 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| 4 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| 5 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| 6 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| 7 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| 8 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| 9 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| 10 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **40.522** |

*Tabel A.4.* *Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 4*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Percobaan 4** | | | |
| **Generasi** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 0011011100000011100100110001001110000010111101110001011001011 | 5 | 88.71 |
| 2 | 0011011100000011100100110001001110000010111101110001011001011 | 5 | 88.71 |
| 3 | 0011110110011110101100110100010000101000000010110000111100110 | 3 | 91.93 |
| 4 | 0011110110011110101100110100010000101000000010110000111100110 | 3 | 91.93 |
| 5 | 0011110110011110101100110100010000101000000010110000111100110 | 3 | 91.93 |
| 6 | 0011110110011110101100110100010000101000000010110000111100110 | 3 | 91.93 |
| 7 | 0011110110011110101100110100010000101000000010110000111100110 | 3 | 91.93 |
| 8 | 0011110110011110101100110100010000101000000010110000111100110 | 3 | 91.93 |
| 9 | 0011110110011110101100110100010000101000000010110000111100110 | 3 | 91.93 |
| 10 | 0011110110011110101100110100010000101000000010110000111100110 | 3 | 91.93 |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **42.321** |

*Tabel A.5.* *Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 5*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Percobaan 5** | | | |
| **Generasi** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 1110111001010111111100101100001101101101100001111110100100010 | 5 | 88.71 |
| 2 | 1111111001111011100001011101111101111110000110100101110111000 | 3 | 93.55 |
| 3 | 1111111001111011100001011101111101111110000110100101110111000 | 3 | 93.55 |
| 4 | 1111111001111011100001011101111101111110000110100101110111000 | 3 | 93.55 |
| 5 | 1111111001111011100001011101111101111110000110100101110111000 | 3 | 93.55 |
| 6 | 1111111001111011100001011101111101111110000110100101110111000 | 3 | 93.55 |
| 7 | 1111111001111011100001011101111101111110000110100101110111000 | 3 | 93.55 |
| 8 | 1111111001111011100001011101111101111110000110100101110111000 | 3 | 93.55 |
| 9 | 1111111001111011100001011101111101111110000110100101110111000 | 3 | 93.55 |
| 10 | 1111111001111011100001011101111101111110000110100101110111000 | 3 | 93.55 |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **59.115** |

*Tabel A.6.* *Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 6*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Running 6** | | | |
| **Generasi** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 1111110100001011001000000001101101100001111001110110001100000 | 3 | 85.48 |
| 2 | 0111101110000100100011101010101101111011011010110111111101000 | 4 | 88.71 |
| 3 | 0111101110000100100011101010101101111011011010110111111101000 | 4 | 88.71 |
| 4 | 0111101110000100100011101010101101111011011010110111111101000 | 4 | 88.71 |
| 5 | 0111101110000100100011101010101101111011011010110111111101000 | 4 | 88.71 |
| 6 | 0111101110000100100011101010101101111011011010110111111101000 | 4 | 88.71 |
| 7 | 0111101110000100100011101010101101111011011010110111111101000 | 4 | 88.71 |
| 8 | 0111101110000100100011101010101101111011011010110111111101000 | 4 | 88.71 |
| 9 | 0111101110000100100011101010101101111011011010110111111101000 | 4 | 88.71 |
| 10 | 0111101110000100100011101010101101111011011010110111111101000 | 4 | 88.71 |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **45.401** |

*Tabel A.7.* *Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 7*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Running 7** | | | |
| **Generasi** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| 2 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| 3 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| 4 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| 5 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| 6 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| 7 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| 8 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| 9 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| 10 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **52.32** |

*Tabel A.8.* *Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 8*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Running 8** | | | |
| **Generasi** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 1111001001000110000010000011011101010111000001111000100101011 | 5 | 90.32 |
| 2 | 1111001001000110000010000011011101010111000001111000100101011 | 5 | 90.32 |
| 3 | 1111001001000110000010000011011101010011000001111000100101011 | 5 | 91.93 |
| 4 | 1111001001000110000010000011011101010011000001111000100101011 | 5 | 91.93 |
| 5 | 1111001001000110000010000011011101010011000001111000100101011 | 5 | 91.93 |
| 6 | 1111001001000110000010000011011101010011000001111000100101011 | 5 | 91.93 |
| 7 | 1111001001000110000010000011011101010011000001111000100101011 | 5 | 91.93 |
| 8 | 1111001001000110000010000011011101010011000001111000100101011 | 5 | 91.93 |
| 9 | 1111001001000110000010000011011101010011000001111000100101011 | 5 | 91.93 |
| 10 | 1111001001000110000010000011011101010011000001111000100101011 | 5 | 91.93 |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **51.097** |

*Tabel A.9.* *Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 9*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Running 9** | | | |
| **Generasi** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| 2 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| 3 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| 4 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| 5 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| 6 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| 7 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| 8 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| 9 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| 10 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **51.33** |

*Tabel A.10. Rekap Hasil Keluaran Program Skenario Uji Coba 1 pada Percobaan 10*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Running 10** | | | |
| **Generasi** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| 2 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| 3 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| 4 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| 5 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| 6 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| 7 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| 8 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| 9 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| 10 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **41.961** |

*Tabel A.11.* *Rekap Hasil Keluaran Program 10 Kali Percobaan pada Skenario Uji Coba 1*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Running** | **Individu** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** |
| 1 | 1011110100110010101001110000010111010000100010111010101010001 | 5 | 87.1 |
| 2 | 1011110100111011111111000011100111101011111110000110010010001 | 3 | 88.71 |
| 3 | 1111111110001100001100110101110111101001000101101110001110111 | 4 | 87.1 |
| 4 | 0011110110011110101100110100010000101000000010110000111100110 | 3 | 91.93 |
| 5 | 1111111001111011100001011101111101111110000110100101110111000 | 3 | 93.55 |
| 6 | 0111101110000100100011101010101101111011011010110111111101000 | 4 | 88.71 |
| 7 | 1001101111110011000111001001110111110000010111001000010011110 | 3 | 88.71 |
| 8 | 1111001001000110000010000011011101010011000001111000100101011 | 5 | 91.93 |
| 9 | 1011100011010101000111110111110010100010101001001011000000000 | 5 | 88.71 |
| 10 | 1011011101110000011100011000111100110110101011010101111011010 | 6 | 88.71 |
| **Rata - Rata Akurasi (%)** | | | **89.52** |
| **Standar Deviasi Akurasi** | | | **2.182** |
| ***Running Time* (sekon)** | | | **46.92** |

*Tabel A.12. Rekap Hasil Keluaran Program 10 Kali Percobaan pada Skenario Uji Coba 2*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Percobaan** | **Nilai K** | **Akurasi (%)** | ***Running Time* (menit)** |
| 1 | 5 | 93.55 | 26.60 |
| 2 | 3 | 93.55 | 30.86 |
| 3 | 4 | 91.93 | 32.21 |
| 4 | 6 | 95.16 | 30.97 |
| 5 | 4 | 93.55 | 28.28 |
| 6 | 4 | 91.93 | 30.31 |
| 7 | 2 | 91.93 | 29.93 |
| 8 | 5 | 93.55 | 28.20 |
| 9 | 5 | 91.93 | 50.85 |
| 10 | 5 | 91.93 | 23.08 |
| **Rata-Rata** | | **92.901** | **31.13** |
| **Standar Deviasi** | | **1.130** | **7.412** |

*Tabel A.13. Rekap Hasil Keluaran Program 10 Kali Percobaan pada Skenario Uji Coba 3*

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Nilai K** | **Akurasi (%)** | **Running Time (sekon)** |
| 1 | 87.1 | 1.341 |
| 3 | 80.65 | 2.147 |
| 5 | 80.65 | 1.531 |
| 7 | 77.42 | 1.134 |
| 9 | 79.03 | 1.912 |
| 11 | 75.81 | 1.911 |
| 13 | 75.81 | 0.344 |
| 15 | 75.81 | 0.256 |
| 17 | 70.97 | 0.547 |
| 19 | 70.97 | 0.588 |
| **Rata-rata** | **77.422** | **1.17** |
| **Standar Deviasi** | **4.809** | **0.704** |

*Tabel A.14. Model Terbaik yang Dihasilkan*

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Nilai *k* | | | | | 3 | | |
| *Crossvalidation* 1 | | | | ***Crossvalidation* 4** | | | |
|  | Data ke- | | |  | Data ke- | | |
| Centroid Positif | 32 | 27 | 6 | Centroid Positif | 17 | 11 | 19 |
| Centroid Negatif | 6 | 10 | 12 | Centroid Negatif | 5 | 14 | 12 |
| *Crossvalidation* 2 | | | | ***Crossvalidation* 5** | | | |
|  | Data ke- | | |  | Data ke- | | |
| Centroid Positif | 24 | 15 | 5 | Centroid Positif | 12 | 2 | 27 |
| Centroid Negatif | 13 | 10 | 11 | Centroid Negatif | 1 | 5 | 9 |
| *Crossvalidation* 3 | | | | **Atribut yang Digunakan** | | | |
|  | Data ke- | | | 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 17, 22, 24, 25, 26, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 35, 36,37,38,39, 44,45,47 , 50, 52, 53, 54, 56,57,58 | | | |
| Centroid Positif | 7 | 16 | 2 |

BIODATA PENULIS

Dini Putri Mandasari, lahir di Surabaya, pada tanggal 16 November 1992. Penulis menempuh pendidikan mulai dari SD Al-Hikmah Surabaya (1999-2005), SMP Al-Hikmah Surabaya (2005-2008), SMA Al-Hikmah Surabaya (2008-2011) dan S1 Teknik Informatika ITS (2011-2015).

Selama masa kuliah, penulis aktif dalam organisasi Himpunan Mahasiswa Teknik Computer (HMTC). Diantaranya adalah menjadi staff departemen hubungan luar himpunan mahasiswa teknik computer ITS 2012-2013 dan sekretaris umum himpunan mahasiswa teknik computer ITS 2013-2014. Penulis juga aktif dalam kegiatan kepanitiaan Schematics. Diantaranya penulis pernah menjadi sekretaris umum II Schematics 2012 dan staff kesekretariatan Schematics 2013.

Selama kuliah di teknik informatika ITS, penulis mengambil bidang minat Komputasi Cerdas Visual (KCV). Penulis pernah menjadi asisten dosen mata kuliah manajemen basis data. Komunikasi dengan penulis dapat melalui email: **diniputrimandasari@gmail.com**.